

四川省凉山彝族自治州南部三县苦荞麦栽培居群的遗传多样性研究

赵佐成¹, 周明德², 罗定泽³, 侯鑫⁴, 王中仁⁴, 沈国坤¹, 李发良⁵, 曹吉祥⁵

1.中国科学院成都生物研究所;成都 610041; 2.国际植物遗传资源研究所;北京 100081; 3.四川师范大学生命科学系;成都 610066; 4.中国科学院植物研究所系统与进化植物学开放实验室;北京 100093; 5.四川省凉山彝族自治州昭觉农业科学研究所;昭觉 616150

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用等位酶电泳技术测定了四川省凉山彝族自治州南部金阳、雷波和米易3县的苦荞麦 [*Fagopyrum tataricum* (L.) Gaertn.] 8个栽培居群的遗传多样性和分化, 结合农业生物学性状进行了分析。苦荞麦居群的遗传多样性水平较高, 每个位点的等位基因平均数为1.8, 多态位点比率为46.6%, 平均实际杂合度和预期杂合度分别为0.187和0.218, F_{ST} 值为0.22, 居群间存在较明显的遗传分化, 为了保护苦荞麦的种质资源, 应该分别加以保护。

关键词 [苦荞麦](#) [等位酶分析](#) [遗传资源](#) [遗传多样性](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(397KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“苦荞麦”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [赵佐成](#)
- [周明德](#)
- [罗定泽](#)
- [侯鑫](#)
- [王中仁](#)
- [沈国坤](#)
- [李发良](#)
- [曹吉祥](#)