

鲫鱼遗传多样性的初步研究

罗静, 张亚平, 朱春玲, 肖武汉

中国科学院昆明动物研究所细胞与分子进化开放研究实验实;昆明 650223

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 用17种限制性内切酶对鲫属普通鲫鱼低背型、高背型、异育银鲫、日本白鲫及华南鲤的变种红鲤共124个个体的线粒体DNA(mtDNA)进行了RFLP分析, 14种酶具多态, 共计43种限制性态型、11种单倍型。结果表明: (1) 基于mtDNA群体间的净遗传距离所构建的聚类关系对应于形态分类; (2) 普通鲫鱼的群体遗传分化指数GST值表明云南和湖北的普通鲫鱼已出现地理分化。它们之间无相同的限制性单倍型, 因此, 在短期内未发生基因交流; 云南普通鲫鱼GST值为0.142, 各水域的群体中均出现相同的单倍型I型, 表明处于半家养状态的鲫鱼与近水域间存在基因交流。(3) 核型上能明显区分的云南普通鲫鱼低背型和高背型群体, 各自在线粒体DNA上存在较丰富的群体内变异, 但高背型群体具独特的单倍型, 故不支持关于高背型群体可能是近期内由低背型经染色体的简单多倍化而形成的推论。

关键词 [鲫鱼](#) [线粒体DNA\(mtDNA\)](#) [限制性片段长度多态\(RFLP\)分析](#) [遗传多样性](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(746KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“鲫鱼”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [罗静](#)
- [张亚平](#)
- [朱春玲](#)
- [肖武汉](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者