

## 湖北海棠的等位酶变异和遗传多样性研究

康明, 黄宏文

(中国科学院武汉植物所/ 武汉植物园, 武汉 430074)

收稿日期 2002-5-28 修回日期 2002-7-18 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 采用超薄平板微型聚丙烯酰胺等电聚焦电泳方法对湖北海棠 (*Malus hupehensis*) 的9个野生居群和2个人工栽培居群的等位酶变异和遗传多样性进行了初步研究。通过对12个酶系统29个酶位点的检测, 结果表明湖北海棠有25个酶位点的等位基因频率分布差异非常显著, 有10个居群发现稀有等位基因, 并有11个(37.9%)重复位点; 湖北海棠的遗传多样性水平很高, 等位基因平均数 $A=2.127$ 、多态位点百分率 $P=74.927$ 、平均预期杂合度 $H_e=0.376$ ; 居群间的基因分化系数 $G_{ST}=0.224$ 。与其他苹果属植物相比, 湖北海棠具有中等丰富的遗传变异水平。居群间的基因流仅为 $N_m=0.866$ , 表明遗传漂变是影响居群遗传变异和遗传结构的一个重要因素。

**关键词** [居群遗传学](#) [基因频率](#) [遗传结构](#) [基因流](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

黄宏文 [hongwen@public.wh.hb.cn](mailto:hongwen@public.wh.hb.cn)

作者个人主页: 康明; 黄宏文

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (585KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“居群遗传学”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [康明](#)

· [黄宏文](#)