

## 德宏水牛微卫星标记分析的群体遗传变异

杨泽宇<sup>1</sup>, 苗永旺<sup>1, 2</sup>, 李大林<sup>3</sup>, 霍金龙<sup>1</sup>, 陈涛<sup>1</sup>, 何朝阳<sup>4</sup>, 创向辉<sup>5</sup>, 汤守银<sup>6</sup>

1. 云南农业大学 动物科学学院, 云南 昆明 650201; 2. 云南大学 生物资源保护与利用重点实验室, 云南 昆明 650091; 3. 云南省家畜改良工作站, 云南 昆明 650021; 4. 云南省德宏州畜牧局, 云南 潞西 678400; 5. 云南省德宏州动物疾病控制中心, 云南 潞西 678400; 6. 云南省德宏州潞西市畜牧站, 云南 潞西 678400

收稿日期 2007-9-18 修回日期 网络版发布日期 2007-12-22 接受日期 2007-10-26

**摘要** 德宏水牛是云南省地方水牛的优良品种之一, 为了进一步阐明其群体遗传变异和遗传结构, 筛选了分别位于水牛14条染色体上的15对微卫星引物, 对德宏水牛81个个体进行了检测分析。共检测到62个等位基因, 每个座位等位基因数目从2到6个不等, 平均等位基因数为4.13, 该水牛群体期望杂合度和多态信息含量分别为 $0.6520 \pm 0.1526$ 和 $0.5863 \pm 0.1789$ , 各座位的遗传分化系数在 $0 \sim 0.0919$ 之间, 平均值为0.0202。每个座位的基因流较大, 平均12.1502。研究表明德宏水牛群体遗传多样性较丰富, 亚群间的遗传分化程度低, 基因流较大, 且很少发生近交。

**关键词** [德宏水牛](#); [微卫星标记](#); [遗传变异](#); [遗传分化](#); [基因流](#)

分类号 [Q959.842](#) [Q347](#)

**DOI:**

通讯作者:

苗永旺 [yongwangmiao999@yahoo.com.cn](mailto:yongwangmiao999@yahoo.com.cn)

作者个人主页: [杨泽宇<sup>1</sup>](#); [苗永旺<sup>1, 2</sup>](#); [李大林<sup>3</sup>](#); [霍金龙<sup>1</sup>](#); [陈涛<sup>1</sup>](#); [何朝阳<sup>4</sup>](#); [创向辉<sup>5</sup>](#); [汤守银<sup>6</sup>](#)

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (305KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“德宏水牛; 微卫星标记; 遗传变异; 遗传分化; 基因流” 的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [杨泽宇](#)

• [苗永旺](#)

•

• [李大林](#)

• [霍金龙](#)

• [陈涛](#)

• [何朝阳](#)

• [创向辉](#)

• [汤守银](#)