

# 新型标记SRAP在棉花F2分离群体及遗传多样性评价中的适用性分析

林忠旭, 张献龙<sup>①</sup>, 聂以春

华中农业大学作物遗传改良国家重点实验室;武汉 430070

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 将新型分子标记SRAP (Sequence-related Amplified Polymorphism) 应用于棉花的遗传研究, 并建立了完整的PCR反应体系, 此体系稳定可靠、扩增效果好、可重复性强。采用30个SRAP引物组合对海岛棉品种“Pima 90”和陆地棉品种“邯鄹208”进行比较扩增, 29个引物组合可以获得多态性扩增, 显示了较高的多态性。对上述两个品种的F2群体进行检测, 共产生149个多态性条带, 平均每个组合产生5.14个, 单引物组合最多的可产生13个多态性条带。用SRAP标记对11份陆地棉材料进行遗传多样性检测, 30个引物组合中15个组合有多态性, 得到22个多态性条带, 显示了较高的多态性比率。研究表明, SRAP标记可在棉花分子生物学领域中广泛应用。

**关键词** [棉花](#) [SRAP](#) [遗传多样性](#)

分类号

National Key Laboratory of Crop Genetic Improvement; Huazhong Agricultural University; Wuhan 430070; China

## Abstract

**Key words** [cotton](#) [SRAP \(sequence-related amplified polymorphism\)](#) [genetic diversity](#)

DOI:

通讯作者

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(217KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“棉花”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [林忠旭](#)
- [张献龙](#)
- [聂以春](#)