

# 开发SSR引物方法之研究动态Research Progress of Methods of SSR Primers Development

李明芳, 郑学勤LI Ming-Fang, ZHENG Xue-Qin

中国热带农业科学院热带作物生物技术国家重点实验室, 海口, 571101National Key Bio-technology Lab. For Tropical Crops, Chinese Academy of Tropical Agriculture Science, Haikou, 571101 China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要

SSR标记是一种基于DNA长度多态性的分子标记技术, 是进行群体遗传结构分析、构建遗传连锁图谱非常有效的工具。由于SSR标记是特异引物标记, 必须在知道某个物种DNA序列的前提下, 才能设计引物进行PCR扩增, 故而在一个引物开发的问题。从SSR标记的发展历程来看, 开发SSR引物的方法有经典的构建与筛选基因组文库的方法、微卫星富集法、省略筛库法和数据库搜索法等四种。本文综述了这四种方法的操作流程及其在实际应用中的优缺点, 并对近年来SSR引物在相近的物种间转移使用的情况作了介绍。

Abstract: SSRs is one of molecular markers technology based on DNA length polymorphism and an efficient tool for population genetic studies and primary genetic linkage maps construction. Because of a special primer marker, It's necessary to know a species DNA sequence in order to design primers for PCR testing. That is to say, there is a problem of SSR primer development. For the progress of SSR marker technology, the methods of developing SSR primer could be divided into four kinds: traditional constructing and screening genome library procedure, the SSR richment procedure, avoiding screening genome library procedure and database search procedure. This paper reviewed these four methods' operation processes and their advantages and disadvantages. In addition, transferability of SSR primers in closely related species were introduced in recent years.

关键词 [SSR标记](#) [SSR引物](#) [开发SSR引物](#) [SSR引物的可转移性](#)。 **Key words** [SSR markers](#) [SSR primers](#) [SSR primers development](#) [transferability of SSR primers](#)

分类号

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“SSR标记 SSR引物 开发SSR引物 SSR引物的可转移性。 Key words”的 相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [李明芳](#)
- [郑学勤LI Ming-Fang](#)
- [ZHENG Xue-Qin](#)

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者