

## 鳄龟科和平胸龟科线粒体控制区序列分析和结构比较

颜亮, 张雁, 汪宁, 张莉, 聂刘旺

安徽师范大学 生命科学学院, 安徽重要生物资源保护与利用研究重点实验室, 安徽 芜湖 241000

收稿日期 2007-9-18 修回日期 网络版发布日期 接受日期 2008-3-10

**摘要** 本文参照龟类近缘种的线粒体DNA (mitochondrial DNA, mtDNA) 控制区 (control region, CR) 及邻接序列, 设计了二对特异引物, 采用PCR和测序技术, 获得了大鳄龟(*Macrolemys temminckii*)、小鳄龟(*Chelydra serpentina*)和平胸龟(*Platysternon megacephalum*) mtDNA CR区序列, 其长度分别为1089 bp、1124 bp和1119 bp; A+T的含量分别为68.97%、69.34%和69.44%。序列分析显示, 三种龟CR区3'末端均存在丰富的微卫星序列, 其中大鳄龟和小鳄龟各有一段2bp的TA序列分别重复20和15次; 小鳄龟另有一段5bp的TATAT序列重复13次; 平胸龟则是一段10 bp的AGTATGTTAT序列重复4次和一段17 bp的GTTGTTATATAACATAT序列重复13次。本文还结合GenBank中已发表的其他6种龟鳖类动物的控制区序列, 探讨了龟鳖类动物微卫星序列的类型及分布, 结果表明: 9种龟鳖类动物都存在丰富的微卫星序列, 且微卫星所在位置及序列存在很大差异。

**关键词** [大鳄龟](#); [小鳄龟](#); [平胸龟](#); [线粒体DNA](#); [控制区](#); [微卫星](#)

分类号

**DOI: 10.3724/SP.J.1141.2008.02127**

通讯作者:

聂刘旺 [lwnie@mail.ahnu.edu.cn](mailto:lwnie@mail.ahnu.edu.cn)

作者个人主页: [颜亮](#); [张雁](#); [汪宁](#); [张莉](#); [聂刘旺](#)

### 扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(621KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中包含“大鳄龟; 小鳄龟; 平胸龟; 线粒体DNA; 控制区; 微卫星”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [颜亮](#)
- [张雁](#)
- [汪宁](#)
- [张莉](#)
- [聂刘旺](#)