

基于线粒体 *COI* 基因序列的文蛤属 (软体动物门: 帘蛤科) 系统发育关系 (英文)

陈爱辉<sup>1,2,\*</sup>, 李朝霞<sup>2</sup>, 封功能<sup>2</sup>

收稿日期 2009-1-7 修回日期 网络版发布日期 2009-6-10 接受日期 2009-4-29

**摘要** 测定了4种文蛤属贝类的15个个体的COI基因序列, 并从GenBank下载了短文蛤 (*M. petechialis*) 的相应序列。比对后的序列长度为574 bp, 包括93个简约信息位点, A、T、C和G的平均含量分别为21.15%、44.71%、14.05%和20.09%。通过对序列的分析, 共定义了12个单倍型: 文蛤 (*M. meretrix*) 4个, 斧文蛤 (*M. lamarckii*) 2个, 丽文蛤 (*M. lusoria*) 3个, 琴文蛤 (*M. lyrata*) 1个, 短文蛤2个。以青蛤 (*Cytilina sinensis*) 为外群, 用MP法和贝叶斯法构建系统树。结果显示, 短文蛤、丽文蛤和文蛤为亲缘关系较近的物种, 支持短文蛤和丽文蛤为文蛤的同物异名的观点。

**关键词**

[文蛤属](#); [文蛤](#); [COI基因](#); [系统发育](#)

分类号

**DOI: 10.3724/SP.J.1141.2009.03233**

通讯作者:

陈爱辉 [aihui\\_chen@126.com](mailto:aihui_chen@126.com)

作者个人主页: 陈爱辉<sup>1,2,\*</sup>; 李朝霞<sup>2</sup>; 封功能<sup>2</sup>

#### 扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(329KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含 “](#)

[文蛤属](#); [文蛤](#); [COI基因](#); [系统发育](#)

”的 [相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [陈爱辉](#)
- 
- 
- [李朝霞](#)
- [封功能](#)