

基于线粒体COI 基因序列探讨泥蚶的遗传分化

郑文娟¹, 朱世华^{1,2} 沈锡权², 刘必谦¹, 潘志崇², 叶央芳¹

1. 宁波大学 应用海洋生物技术教育部重点实验室, 浙江 宁波 315211;

2. 宁波大学 生命科学与生物工程学院生物系, 浙江 宁波 315211

收稿日期 2008-9-3 修回日期 网络版发布日期 2009-2-22 接受日期 2008-12-18

摘要 采用PCR技术对我国沿海地区7个泥蚶群体的线粒体COI基因部分序列进行了测定和遗传分析。在来自7个群体的38个泥蚶样本均得到660 bp的COI基因片段序列, 共103个多态位点, 组成17种单倍型; 数据分析表明: 7个群体形成了两大类群: 福建以北(包括福建)的5个群体(江苏盐城、浙江奉化、浙江乐清养殖和自然群体、福建福鼎)形成一个类群, 类群内的遗传距离为0.0016; 福建以南的类群(广东湛江、海南海口)形成一个类群, 遗传距离为0.0006; 二个类群之间的遗传距离为0.1529, 表现为高度的分化。因此我国沿海泥蚶已分化形成福建以南和以北两大类群, 两大类群之间的遗传分化已达到亚种水平。

关键词 [泥蚶](#); [COI 基因](#); [遗传多样性](#); [遗传分化](#)

分类号

DOI: 10.3724/SP.J.1141.2009.01017

通讯作者:

朱世华 zhushihua@nbu.edu.cn

作者个人主页: 郑文娟¹; 朱世华^{1,2} 沈锡权²; 刘必谦¹; 潘志崇²; 叶央芳¹

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (341KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“泥蚶; COI 基因; 遗传多样性; 遗传分化”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [郑文娟](#)
- [朱世华](#)
- [沈锡权](#)
- [刘必谦](#)
- [潘志崇](#)
- [叶央芳](#)