

论文

基于16S rRNA序列推断红蹼树蛙、棱皮树蛙和白斑小树蛙的非单系性 (英文)

余国华^{1,2}, 饶定齐^{1,*}, 杨君兴^{1,*}, 张明旺^{1,2}

1. 中国科学院昆明动物研究所, 云南 昆明 650223; 2. 中国科学院研究生院, 北京 100049

收稿日期 2007-2-1 修回日期 网络版发布日期 2007-8-22 接受日期 2007-5-14

摘要

测定了4个种(红蹼树蛙、黑蹼树蛙、白斑小树蛙和红吸盘小树蛙)共11个种群的16S rRNA基因片段。双斑树蛙、马来棱皮树蛙、越南棱皮树蛙以及日本溪树蛙的同源序列通过GenBank检索获得。去除所有插入、缺失及模糊位点后, 比对序列长度为500 bp, 其中变异位点115个, 简约信息位点92个。以日本溪树蛙为外群, 运用Bayesian法、MP法和ML法构建了系统发育树。结果表明红蹼树蛙和白斑小树蛙在种级水平上均不是单系。红蹼树蛙海南种群与双斑树蛙亲缘关系更近, 并且来自云南不同地理种群的红蹼树蛙可以分为两大支系; 越南棱皮树蛙与红吸盘小树蛙聚为一支, 马来棱皮树蛙嵌套在白斑小树蛙不同地理种群中。进而认为白斑小树蛙是马来棱皮树蛙的同物异名, 建议将红吸盘小树蛙并入棱皮树蛙属。

关键词 [红蹼树蛙; 系统发育; 16S rRNA](#)

分类号 [Q951.3](#) [Q959.5](#) [Q349](#)

DOI:

通讯作者:

饶定齐; 杨君兴 Raodq@mail.kiz.ac.cn; Yangjx@mail.kiz.ac.cn

作者个人主页: 余国华^{1;2}; 饶定齐^{1;*} ; 杨君兴^{1;*} ; 张明旺^{1;2}

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (345KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“红蹼树蛙; 系统发育; 16S rRNA ” 的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [余国华](#)

•

• [饶定齐](#)

•

• [杨君兴](#)

•

• [张明旺](#)

•