

功能基因组学的研究内容与方法

Content and Methods of Functional Genomics

投稿时间: 1999-5-24 最后修改时间: 1999-9-25

稿件编号: 20000102

中文关键词: [人类基因组计划](#) [功能基因组学](#) [蛋白质组学](#) [模式生物体](#) [生物信息学](#)

英文关键词: [human genome project](#) [functional genomics](#) [proteomics](#) [model organism](#) [bioinformatics](#)

基金项目:

作者	单位
赵剑华	中国医学科学院中国协和医科大学 肿瘤研究所, 分子肿瘤学国家重点实验室, 北京 100021
王秀琴	中国医学科学院中国协和医科大学 肿瘤研究所, 分子肿瘤学国家重点实验室, 北京 100021
刘芝华	中国医学科学院中国协和医科大学 肿瘤研究所, 分子肿瘤学国家重点实验室, 北京 100021
吴旻	中国医学科学院中国协和医科大学 肿瘤研究所, 分子肿瘤学国家重点实验室, 北京 100021

摘要点击次数: 30

全文下载次数: 36

中文摘要:

基因组学的研究已从结构基因组学转向功能基因组学. 综述了功能基因组学研究的内容和方法, 主要包括应用微点阵、基因表达系列分析(SAGE)、蛋白质组、生物信息学等方法来研究基因组表达概况、基因组多样性、模式生物体等.

英文摘要:

The main direction of study in genomics has been transferred from structural genomics to functional genomics. Content and methods of functional genomics are reviewed, including gene expression profile, genomic diversity, model organism, genomic comparison and evolution studied by microarray, serial analysis of gene expression, proteomics, bioinformatics, and so on.

[查看全文](#)

[关闭](#)

[下载PDF阅读器](#)

您是第405565位访问者.

主办单位: 中国科学院生物物理研究所和中国生物物理学会 单位地址: 北京市朝阳区大屯路15号
服务热线: 010-64888459 传真: 010-64889892 邮编: 100101 Email: prog@sun5.ibp.ac.cn
本系统由勤云公司设计, 联系电话: 010-62862645, 网址: <http://www.e-tiller.com>
京ICP备05002794号