

植物基因组表达序列标签(EST)计划研究进展

Progress in Expressed Sequence Tags (EST) Project of Plant Genome

投稿时间: 2000-9-27 最后修改时间: 2000-11-3

稿件编号: 20010414

中文关键词: [植物基因组](#) [表达序列标签](#) [生物信息学](#)

英文关键词: [plant genome](#) [expressed sequence tags](#) [bioinformatics](#)

基金项目: 国家973计划(973-08-02)和国家自然科学基金资助(399800029)项目.

作者	单位
骆蒙	中国农业科学院品种资源研究所, 农业部作物种质资源与生物技术重点实验室, 北京 100081
贾继增	中国农业科学院品种资源研究所, 农业部作物种质资源与生物技术重点实验室, 北京 100081

摘要点击次数: 90

全文下载次数: 3

中文摘要:

植物表达序列标签(EST)计划是随机挑选cDNA克隆, 并对其3' 或5' 端进行大规模一次性测序, 将得到的150~500 bp长度的DNA片段与数据库中的序列进行比较, 获得对基因组结构、组织、表达等认识的基因组研究策略. 就近年来国际植物EST计划的实施情况、植物EST计划的研究范围、生物信息学在EST研究中的应用、EST数据库及查询、植物EST研究中遇到的问题等方面内容进行了综述.

英文摘要:

Plant expressed sequence tags (EST) project is a new research area in plant genome. By a single pass large scale sequencing of cDNA libraries, ESTs can be acquired and used to analyze gene expression, organization, construction. Some kinds of plant genome projects, the major research in plant EST project, the function of bioinformatics in EST analysis, dbEST and inquiry service, some problems in EST research are discussed.

[查看全文](#)

[关闭](#)

[下载PDF阅读器](#)

您是第371174位访问者.

主办单位: 中国科学院生物物理研究所和中国生物物理学会 单位地址: 北京市朝阳区大屯路15号

服务热线: 010-64888459 传真: 010-64889892 邮编: 100101 Email: prog@sun5.ibp.ac.cn

本系统由勤云公司设计, 联系电话: 010-62862645, 网址: <http://www.e-tiller.com>

京ICP备05002794号