

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 烟实夜蛾触角普通气味结合蛋白 II cDNA的克隆、序列分析及在大肠杆菌中的表达

作者: 巩中军¹, 原国辉^{1*}, 郭线茹¹, 安世恒²

摘要: 利用RT-PCR技术扩增了编码烟实夜蛾*Helicoverpa assulta*雌、雄虫触角普通气味结合蛋白II的Cdna片段, 将其克隆至Pgem-T Easy载体, 获得了普通气味结合蛋白II基因成熟蛋白阅读框序列。将该基因重组到表达型质粒Pet-30a(+)中, 并转化入原核细胞中表达。序列测定结果表明, 烟实夜蛾触角普通气味结合蛋白基因的成熟蛋白阅读框全长489 bp, 编码162个氨基酸残基, 预测分子量和等电点分别为18.2 kD和5.35。推导的氨基酸序列与已报道的10种昆虫普通气味结合蛋白II高度同源(73%~98%), 并具有气味结合蛋白的典型特征。SDS-PAGE和Western印迹分析表明, 经IPTG诱导, 普通气味结合蛋白II基因能在大肠杆菌BL21(DE3)中表达, 电泳检测到一条约23 kD大小的外源蛋白, 与预测的融合蛋白分子量大小相应。

关键词: 烟实夜蛾; 普通气味结合蛋白; 触角; 基因克隆; 原核表达

这篇文章摘要已经被浏览 54 次, 全文被下载 39 次。

[下载PDF文件 \(49747 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcx@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>