

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期, undefined - undefined 页

题目: 微卫星分子标记在濒危动物保护遗传学研究中的应用

作者: 黄磊^{1,2} 王义权^{1*}

1(厦门大学生命科学学院, 厦门 361005)

2(南京师范大学生命科学学院, 南京 210097)

摘要: 微卫星DNA广泛分布于真核生物基因组中, 具有多态性高、共显性遗传、选择中性、易于操作等特点, 是一种极具应用价值的分子遗传标记, 近年来在濒危动物保护遗传学研究中得到越来越多的应用。微卫星DNA高度多态性提供的高分辨率遗传信息, 使其不仅适合个体水平的亲子鉴定与交配系统研究, 而且也成为种群遗传结构与多样性分析的有效分子标记。微卫星分析所需的DNA量极少, 用非损伤性方法获取的极少量样品或陈旧样品就能用于有效分析, 方便了濒危动物野外调查工作的开展, 并且可以利用年代久远的馆藏历史标本揭示种群的重要历史进程。另外, 某些微卫星DNA大小在近缘物种间可相互区分, 这使得部分物种的DNA分子鉴别将更为简便。但微卫星分子标记的座位筛选和特异引物开发耗时费力, 一定程度上限制了其广泛应用。针对不同的研究目的选择合适的分子标记方法将有助于更好的揭示问题本质。

关键词: 微卫星DNA, 濒危动物, 交配系统, 遗传结构, 进化历史

通讯作者: 王义权 (E-mail:wangyq@xmu.edu.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 1074 次, 全文被下载 757 次。

[下载PDF文件 \(229711 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>