

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 种群微卫星DNA分析中样本量对各种遗传多样性度量指标的影响

作者: 闫路娜 张德兴**

中国科学院动物研究所, 农业虫鼠害综合治理研究国家重点实验室,
北 京 100080

摘要: 我们以中国飞蝗种群的微卫星遗传分析数据为例, 评估了取样对种群遗传多样性指标的影响, 结果显示: 样本大小与所观测到的每位点等位基因数、平均等位基因数及基因丰富度指数均呈显著正相关, 而与期望杂合度无显著相关; 微卫星位点多态性的高低直接影响所观测到的种群基因丰富度及其检测所需的样本量; 对大多数种群遗传和分子生态学研究而言, 30-50个个体是微卫星DNA分析所需要的最小样本量。基因丰富度经过稀疏法或多次随机抽样法校正后, 可适用于瓶颈效应等种群历史数量变动的检测。另外, 在研究中, 还应避免采集时间的不同及样本的性比构成所可能造成的对种群遗传结构的影响[动物学报 50 (2) 279 - 290, 2004]。

关键词: 样本量 遗传多样性 基因丰富度 杂合度 样本采集 微卫星DNA标记 飞蝗 分子生态学

通讯作者: 张德兴 (E-mail: dxzhang@panda.ioz.ac.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 2208 次, 全文被下载 1543 次。

[下载PDF文件 \(452821 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>