

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 中国黑斑蛙种群的线粒体DNA多样性和生物地理演化过程的初探

作者: 杨玉慧¹ 张德兴^{1*} 李义明² 吉亚杰¹

1. 中国科学院动物研究所 农业虫鼠综合治理研究国家重点实验室, 北京 100080

2. 中国科学院动物研究所, 北京 100080

摘要: 本文通过对黑斑蛙8个地方种群257个标本的线粒体基因组Cyt *b*基因片段的序列分析, 探讨了其种群遗传多样性的现代分布格局及其生物地理演化过程。对所检测出的79个单倍型的分析表明: 黑斑蛙在我国分布区内中部地区的种群遗传多样性高于南北边缘种群。种群间基因流同地理隔离距离呈显著负相关, 种群遗传分化符合距离隔离或脚踏石模型。线粒体单倍型以广西和四川种群的个体的遗传分化为最深, 反映出西部山区的屏障隔离效应。单倍型歧点分布分析表明, 约10.3–22.6万年前, 即在末次间冰期, 黑斑蛙在其分布范围内经历过一次大规模的种群扩张事件。单倍型的分布格局和共享情况显示黑斑蛙种群在冰期后的重新扩张过程主要表现为由南往北的递进式扩散形式。第四纪冰期气候的反复波动导致了黑斑蛙适宜生境在纬度方向上的平移, 进而导致黑斑蛙种群随生境变化而进行扩张或收缩, 使黑斑蛙种群的遗传多样性能始终保持在分布区中间高而南北两端低, 并形成了现代的分布格局[动物学报 50 (2): 193–201, 2004]。

关键词: 黑斑蛙 线粒体细胞色素*b*基因 遗传多样性 系统发生 生物地理学 第四纪冰期 更新世 基因流

通讯作者: 张德兴 (E-mail: dxzhang@panda.ioz.ac.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 1312 次, 全文被下载 1555 次。

[下载PDF文件 \(340668 字节\)](#)

您是第: **248389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcx@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>