

# Mapplotter——一个输出遗传图谱、图示基因型和QTL曲线图形的软件 Mapplotter——A Software for Output of Genetics Mapping, Illustration of Genotype and QTL Curve

沈利爽<sup>1, 2</sup>, 郑先武<sup>1</sup>, 朱立煌<sup>1</sup> SHEN Li-shuang<sup>1, 2</sup>, ZHENG Xian-wu<sup>1</sup>, ZHU Li-huang<sup>1</sup>

1.中国科学院遗传研究所,北京 100101 2.国际水稻研究所, 菲律宾 1.Institute of Genetics, Chinese Academy of Sciences, Beijing 100101, China; 2. International Rice Research Institute, Philippines 2.

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要

关键词

分类号

**Abstract**

**Key words**

DOI:

通讯作者

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 无 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [沈利爽](#)
- [郑先武](#)
- [朱立煌SHEN Li-shuang](#)
- [ZHENG Xian-wu](#)
- [ZHU Li-huang](#)