

母猪生殖器官大小和产仔数的分子遗传基础

张淑君1, 熊远著1, 邓昌彦1, 曾凡同3, 邱祥聘3, 肖森木2, 夏瑜2, 徐建祥2, 阮征2

1.华中农业大学畜牧兽医学院;武汉 430070; 2.武汉市畜牧兽医科学研究所;武汉 430065; 3.四川农业大学动物科学学院;雅安 625014

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用单核苷酸多态分析技术(SNP)分析母猪3个生殖激素受体基因(ESR、PRLR和FSHR)的变异;屠宰103头母猪并测定其生殖器官大小;统计母猪的产仔数;利用SAS或SPSS分析软件分析基因变异与母猪的生殖器官大小、产仔数多少的连锁关系,以探讨母猪生殖器官大小和产仔数多少的分子遗传基础.结果表明,如母猪携带的基因型为位点ESR的BB型、位点FSHRB的BB型、位点ESRB的AA型、位点PRLR的AA型,则母猪的生殖器官较大,产仔数也较多;在位点ESRB或位点PRLR中,带有AA基因型母猪不仅产仔数显著地高于AB、BB型,而且生殖器官也显著大于AB、BB型;在位点ESR和FSHRB中,带有BB基因型母猪的生殖器官、产仔数显著高于带有AB或AA型母猪.

关键词 [猪产仔数](#) [单核苷酸多态](#) [生殖器官大小](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(124KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“猪产仔数”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [张淑君](#)
- [熊远著](#)
- [邓昌彦](#)
- [曾凡同](#)
- [邱祥聘](#)
- [肖森木](#)
- [夏瑜](#)
- [徐建祥](#)
- [阮征](#)