

与葡萄抗霜霉病基因紧密连锁的 分子遗传标记

罗素兰1, 2, 贺普超2, 周鹏3, 郑学勤3

1.海南大学农学院 海口 570228; 2.西北农业大学园艺系;杨凌 712100; 3.热带作物生物技术国家重点实验室;海口 571101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以种间杂交组合88-110 [83-4-96 (毛葡萄, 抗霜霉病) × 粉红玫瑰 (欧洲葡萄, 感霜霉病)] 的F1代 (60个单株) 及其自交或互交所得的3个F2代为试材, 应用BSA、RAPD和SCAR方法研究了葡萄抗霜霉病基因的分子标记。共筛选了280个Operon引物, 其中160个引物扩增出了清晰的DNA条带, 发现了RAPD标记OP006-1500与葡萄抗霜霉病主效基因 (RPv-1) 紧密连锁, 经Mapmarker软件连锁分析, OP006-1500与RPv-1的遗传距离为1.7cM。将该DNA片段克隆并测序。据其两端序列, 设计了一对长度为26bp的特异引物分别扩增供试材料, 获得了与该RAPD标记相同大小的一条带, 将RAPD标记转化为SCAR标记SC006-1500, 并证实了此SCAR标记的通用性, 且可用于葡萄抗病育种中杂种对霜霉病的抗病性鉴定。

关键词 [葡萄抗霜霉病基因](#) [RAPD](#) [SCAR](#) [连锁](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(377KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“葡萄抗霜霉病基因” 的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [罗素兰](#)
- [贺普超](#)
- [周鹏](#)
- [郑学勤](#)