

# 利用RAPD分子标记对三组三系杂交水稻及亲本的遗传分析和鉴定 Genetic Analysis and Identification of Three Groups Three-line Hybrid Rice and Their Parents by RAPD Markers

毛加宁, 段世华, 李绍清, 朱英国 MAO Jia-ning, DUAN Shi-hua, LI Shao-qing, ZHU Ying-guo  
武汉大学植物发育生物学教育部重点实验室, 武汉大学生命科学学院遗传研究所, 武汉 430072  
The Key Laboratory of MOE for Plant Development Biology and Institute of Genetics, College of Life  
Sciences, Wuhan University, Wuhan 430072, China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用RAPD技术, 从248个随机寡聚核苷酸(10bp)中筛选出13个引物能在供试的三组三系杂交水稻及亲本间扩增出43条稳定性较好的多态性片段, 其中6个引物能在供试材料间扩增出20个强的多态性标记。利用这些标记能有效地区分各组合中不育系、保持系、恢复系和F1, 并能看出各组合中不育系与保持系、不育系与恢复系、F1与亲本间的遗传关系。

**Abstract:** A total of 248 arbitrary 10-mer oligonucleotide primers were screened using RAPD (random amplified polymorphic DNA) techniques with the genome DNA of three groups of three-line hybrid rice and their parents. Thirteen primers produced 43 polymorphism fragments. Six primers of them produced 20 obviously repeatable polymorphic markers among rice lines tested. Using this RAPD markers, the hybrid rice combinations (sterile-line, maintainer-line, restorer-line and F1) can be effectively identified, and the genetic relationship among them can be shown.

**关键词** [RAPD](#) [杂交水稻](#) [遗传关系](#) [鉴定](#) **Key words** [RAPD](#) [Hybrid rice](#) [Genetic relationship](#) [Identification](#)

分类号

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)

- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“RAPD”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [毛加宁](#)
- [段世华](#)
- [李绍清](#)
- [朱英国MAO Jia-ning](#)
- [DUAN Shi-hua](#)
- [LI Shao-qing](#)
- [ZHU Ying-guo](#)