

应用贝叶斯理论推断DNA分子标记基因型

莫惠栋, 姜长鉴

扬州大学数量遗传研究室; 扬州 225009

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 引入贝叶斯理论用以从DNA分子标记的表现型(电泳谱带)推断其基因型(DNA来源)。结果表明, 根据标记座位独立假定而确定的遗传信息不完全标记的基因型概率, 与根据邻近的遗传信息完全标记的基因型和有关重组率算得的相应贝叶斯概率, 通常都有很大的差异。所以在进行数量性状基因定位和标记辅助选择等工作之前, 应当计算每一个体基因组上所有遗传信息不完全座位的有关基因型的贝叶斯概率。文中列出计算未知基因型的贝叶斯概率的详细过程, 也讨论了贝叶斯概率的若干推广应用。

关键词 [贝叶斯概率](#) [DNA标记](#) [遗传信息不完全](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(208KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“贝叶斯概率”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [莫惠栋](#)
 - [姜长鉴](#)