

脊椎动物DMRT基因家族的系统发生及同线性分析

郭一清, 程汉华, 周荣家^①

武汉大学生命科学院发育生物学研究中心; 武汉 430072

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用本室克隆的DMRT/Dmrt基因以及多个基因数据库中收集的DMRT/Dmrt基因全(或部分)序列, 构建了DMRT/Dmrt基因的系统发生树, DMRT/Dmrt基因明显地聚类为7类(DMRT/Dmrt1~DMRT/Dmrt7)。以已克隆的斑马鱼Dmrt1基因序列及数据库中人和小鼠的DMRT/Dmrt基因序列, 结合基因组数据的比对分析, 发现脊椎动物DMRT/Dmrt基因家族成员在基因组中的定位呈现高度保守的同线性, 主要集中于两大同线群, 即DMRT/Dmrt1~3和DMRT/Dmrt5~6。

:

关键词 [DM结构域](#) [同线性](#) [基因家族](#) [性别分化](#)

分类号

Center for Developmental Biology; College of Life Sciences; Wuhan University ; Wuhan 430072 ; China

Abstract

Key words [DM domain](#) [synteny](#) [gene family](#) [sexual differentiation](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(206KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 包含“[DM结构域](#)”的 [相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [郭一清](#)
- [程汉华](#)
- [周荣家](#)