

爪哇根结线虫Mi-毒性和无毒近等基因系的制备及其遗传变异的初步分析

徐建华1, 奈良部孝2, 李红梅1, 付鹏1

1.南京农业大学农业部病虫害监测与治理重点开放实验室;南京 210095; 2.日本农业研究中心线虫害研究室;筑波 305-8666

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 爪哇根结线虫是以孤雌生殖方式繁殖的农作物重要病原物。通过将爪哇根结线虫一无毒群体在抗病番茄品种Momotaro上连续选择19代, 获得了一对针对抗性基因Mi的毒性和无毒近等基因系。用102种引物对该近等基因系进行随机扩增多态性DNA (RAPD) 分析显示, 除一种引物外两者的RAPD带谱基本一致, 证实了该毒性和无毒群体的基因组组成十分近似。对一种引物扩增出的一个无毒群体特异性的RAPD片段进行了克隆。Southern杂交结果提示该多态性片段及其同源序列在毒性选择过程中被从毒性线虫的基因组中删除。但DNA序列分析和数据库检索表明, 该片段与迄今发表的核酸序列均不存在显著的同源性, 因此尚无法预测其潜在的功能性。爪哇根结线虫Mi-毒性和无毒近等基因系的制备为进一步鉴定和分离该线虫毒性相关基因打下了坚实的基础。

关键词 [爪哇根结线虫](#) [Mi基因](#) [近等基因系](#) [遗传变异](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(268KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“爪哇根结线虫”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [徐建华](#)
- [奈良部孝](#)
- [李红梅](#)
- [付鹏](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者