

半滑舌鳎FTZ-F1 cDNA克隆及表达分析(英文)

邓思平^{1,2}, 陈松林², 刘本伟²

1. 广东海洋大学 水产学院, 广东 湛江 524025 266071; 2. 中国水产科学研究院黄海水产研究所, 农业部海洋渔业资源可持续利用重点开放实验室, 山东 青岛

收稿日期 2008-7-15 修回日期 网络版发布日期 2008-12-22 接受日期 2008-11-12

摘要 为研究性别相关基因FTZ-F1在半滑舌鳎鱼中的表达特征, 采用同源克隆策略, 从其精巢分离了3 143 bp长的半滑舌鳎FTZ-F1 (hsFTZ-F1) 的全长cDNA, 该序列包含1 458 bp开放阅读框, 66 bp长的5' 末端非编码区(UTR), 1 619 bp长的3' 末端UTR。mRNA的组织分布、氨基酸序列和系统发生分析表明: hsFTZ-F1属于SF-1/Ad4BP类群。RT-PCR分析表明: hsFTZ-F1 mRNA的分布广泛, 几乎在所有组织都有表达, 但在性腺、肾脏、脑和头肾组织中表达最强, 其他组织表达较弱, 雌鱼脑和头肾中的表达量明显高于雄性。胚胎发育过程中表达量都高于孵化后仔鱼的表达量, 表明hsFTZ-F1可能参与了半滑舌鳎的器官形成过程。

关键词 [半滑舌鳎](#); [FTZ-F1](#); [cDNA克隆](#); [表达](#)

分类号

DOI: 10.3724/SP.J.1141.2008.06592

通讯作者:

陈松林 chenst@ysfri.ac.cn

作者个人主页: 邓思平^{1;2}; 陈松林²; 刘本伟²

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (999KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (OKB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“半滑舌鳎: FTZ-F1; cDNA克隆; 表达”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [邓思平](#)

•

• [陈松林](#)

• [刘本伟](#)