

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 基于RAPD分析的中国野桑蚕和家蚕遗传多样性和系统发育关系研究

作者: 鲁成, 余红仕, 向仲怀

摘要: 对具代表性的中国11个地区的野桑蚕*Bombyx mandarina*进行了随机引物扩增多态性DNA (RAPD) 分析, 结果表明: 不同地区的野桑蚕的遗传距离较大, 最大为0.465(安康-镇江), 最小的也有0.209(武汉-合肥); 同一地区不同个体野桑蚕的遗传距离也较大, 最大为0.318, 最小的为0.144。它们均远大于家蚕*B. mori*品种内个体间的遗传距离(最大为0.068、最小为0.015), 甚至超过了家蚕品种间的遗传距离(最大为0.258、最小为0.197)。这表明中国野桑蚕是一个十分混杂的、遗传多样性非常丰富的群体。另外, 在大多数情况下野桑蚕的遗传距离表现出与空间距离正相关。遗传距离和系统发育分析结果显示陕西一带的野桑蚕成分复杂, 有重要的演化意义。

关键词: 中国野桑蚕; RAPD分析; 分子系统树; 遗传距离

这篇文章摘要已经被浏览 35 次, 全文被下载 19 次。

[下载PDF文件 \(1092960 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>