

花生根瘤菌群体遗传多样性和系统发育研究

杨江科, 谢福莉, 周俊初

华中农业大学教育部农业微生物重点实验室; 武汉 430070

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用16S rRNA RFLP、16S rRNA序列分析和16S~23S IGS PCR RFLP技术对43株花生根瘤菌和来自其他种属的15个参比菌株进行了群体遗传多样性和系统分析. 16S rRNA PCR RFLP分析结果表明, 所有供试花生根瘤菌均属于慢生根瘤菌属, 在系统发育上与*B. japonicum*的亲缘关系最近, 具有相同的16S rRNA RFLP基因型, 而与*B. elkanii*相对较远. 16S rRNA序列分析结果表明, 供试花生根瘤菌在系统发育上更接近于*B. liaoningense*, 序列间差异小于1%, 而*B. liaoningense*在系统发育上与*B. japonicum*相距很近, 其序列间差异小于1%. 16S~23S rRNA IGS RFLP分析结果表明, 尽管花生根瘤菌与*B. japonicum*和*B. elkanii*的亲缘关系很近, 但在71%的相似性水平上供试花生根瘤菌仍各自聚为一群, 并可进一步分为A、B、C和D 4个亚群, 该分群还明显反映了地理因素对群体遗传多样性和系统发育的影响.

关键词 [花生根瘤菌](#) [16S rRNA RFLP](#) [16S rRNA序列分析](#) [16S~23S IGS PCR RFLP](#) [系统发育](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(475KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“花生根瘤菌”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [杨江科](#)
- [谢福莉](#)
- [周俊初](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者