

会议公告： 结构基因组

香山科学会议第189次学术讨论会简介

香山科学会议是由科技部（前国家科委）发起，在科技部和中国科学院的共同支持下于1993年正式创办，相继得到国家自然科学基金委员会、中国科学院学部、中国工程院、教育部、解放军总装备部和国防科工委等部门的支持与资助。香山科学会议是我国科技界以探索科学前沿、促进知识创新为主要目标的高层次、跨学科、小规模、常设性学术会议。会议实行执行主席负责制。会议以评述报告、专题发言和深入讨论为基本方式，探讨科学前沿与未来。

结构基因组计划是继人类基因组计划之后又一个大规模国际合作计划，即规模化地测定蛋白质、RNA及其它生物大分子的三维结构。期望在未来10年能够测定1万个蛋白质的三维结构，特别是具有新的折叠类型的蛋白质结构，同时开展大量蛋白质三维结构预测及功能预测。结构基因组学研究可能为一些重要疾病机理的阐明及防治提供理论基础，在创新药物的研究中占据中心地位。结构基因组学研究是一项多学科研究的大科学工程，已获得国际学术界、企业界和政府的共同关注和支持。

我国对结构基因组计划已做出了相应反应，正在部署或开展研究工作。香山科学会议将于2002年9月9日至11日召开以“结构基因组”为主题的学术讨论会。邀请有关学科的科学家共同分析国际结构基因组研究的动态和形势，研讨我国的对策。

会议执行主席：

梁栋材 院士 中科院生物物理所

施蕴渝 院士 中国科学技术大学生命科学院

饶子和 教授 清华大学生命科学与技术系

会议中心议题：

1. 国际结构基因组研究动态和我国的对策；
2. 规模化基因表达、蛋白质分离纯化技术；
3. 结构基因组研究中的生物信息学技术，规模化蛋白质晶体学关键技

术，规模化核磁共振波谱学关键技术。

总评述报告：

梁栋材 院士 国际蛋白质结构基因组学研究进展

香山科学会议主张学术平等，鼓励对原有理论提出质疑，提倡发表不同意见和提出非常规的思考，并不一定要求达成共识。会议期望，在宽松的环境和多学科交叉的自由讨论中，基于对已有进展的总结和评论，展望未来的发展趋势，剖析关键的科学前沿问题及其解决方法，探讨学科新增长点。会议报告与自由讨论时间大体为1:1~1.2。会议要求与会者在讨论中言简意赅，不侧重展示过去已经发表的成果，而以过去研究积累为基础，涵盖最新信息，把握最新动向，发表新的见解。

关 闭