

[师资队伍](#)[博士生导师](#)[硕士生导师](#)[教授](#)[副教授](#)[讲师](#)[助教](#)[外聘教师](#)[教授](#)当前位置： [首页](#)>>[师资队](#)**赵秀娟**

赵秀娟女（1977年3月）

博士教授吉林省通榆县人，硕士生导师

现任内蒙古科技大学生命科学与技术学院生物技术系系主任

电话：0472-5951944

传真：0472-5951944

E-mail：nmzxj1977@163.com

个人主页：暂无

●教育经历

1996.09-2000.07 内蒙古大学生命科学院学习，理学学士

2000.09-2003.07 内蒙古大学生命科学院学习,理学硕士

2007.09-2011.70 内蒙古大学理学院物理系, 生物物理学博士

2013.09-2014.07清华大学生物系, 访问学者

●工作经历

2003.7-2003.12 包头钢铁学院生物与化学工程系, 助教

2004.1-2004.12 内蒙古科技大学生命科学学院，讲师

2005.1-2009.01 内蒙古科技大学生物与化学工程学院，副教授

2009.2-2016.02 内蒙古科技大学数学与生物工程学院，教授，系主任，硕士生导师

2016.3---今内蒙古科技大学生命科学与技术学院，教授，系主任，硕士生导师

●研究方向

真核生物中负载着遗传信息的DNA分子在细胞中被包装成核小体。核小体不仅是构成真核生物染色质的基本结构单位，更重要的是通过在基因组上的定位及化学修饰调控诸如转录、DNA复制和修复等基因表达过程。本人及课题组基于现有的实验数据，发展了核小体定位的理论预测模型。与中科院生物物理研究所合作，发展了核小体体外组装方法，通过不同DNA序列体外组装核小体能力的检测，进一步验证了DNA序列是影响核小体定位的重要因素。

DNA复制是细胞周期、细胞发育和癌变形成过程中的关键事件。生物体为了确保遗传物质传递的忠实性，必须对其DNA复制进行严格的调控。真核生物的DNA复制点起始复制，因而保证整个基因组可以在较短时间内完成复制，所以DNA复制起始是真核生物复制调控的重要环节。采用机器学习的方法结合DNA的序列特征及表观遗传信息对酵母的复制起始点加以预测，同时进行实验验证。

●科研成果获奖

1.成果名称：相互作用网络及染色质结构水平遗传信息组织、传递规律的生物信息学研究，获奖等级：内蒙古自治区自然科学奖一等奖，2015.11

●教学成果获奖

1.成果名称：以课程体系建设促进生物技术专业创新人才培养的研究与实践，获奖等级：内蒙古科技大学教学成果奖一等奖，2015.11，蔡禄、赵秀娟、巩东辉、王研、李培

2.成果名称：基础生物学实验示范中心开放实验室的建设与管理，获奖等级：内蒙古科技大学教学成果奖二等奖,2011.11

3.成果名称：生物技术专业实验课教学模式的探讨和研究，获奖等级：内蒙古科技大学教学成果奖二等奖,2011.11

4.成果名称：本科生提前进入实验室参加科学研究的探讨，获奖等级：内蒙古科技大学教学成果奖二等奖，2009.8

●科研项目

1.国家自然科学基金面上项目，基于DNA序列、结构及表观遗传信息的酵母复制起始点的理论预测及实验研究 (61361014)，2014.1-2017.12

2.内蒙古自然科学基金，组蛋白乙酰化对酵母III号染色体复制起点的选择及起始活性的调控作用 (2015MS0334)，2015-2017

3.内蒙古高等学校科研基金，可变启动子的表观遗传学分析 (NIZY12103)，2012-2014

4.内蒙古自然科学基金，酵母核小体定位位对自主复制序列ARS活性的影响 (2011MS0504)，2011-2013

5.教育部春晖计划，高通量测序法研究微生物基因组进化 (Z2009-1-01054)，2009

6.内蒙古科技大学创新基金，酵母核小体定位信号分析及应用 (2009NC066)，2009.1-2011.12

7.内蒙古科技大学创新基金，内蒙古盐生动物卤虫抗逆相关基因的研究 (KJ200611)，2005.1-2007.12

●教研项目

1. 内蒙古自治区研究性教育教学改革研究与实践课题项目，产学研合作研究生培养模式的研究与实践——以内蒙古科技大学生物学科为例（YJG20151012707）
2. 内蒙古科技大学教学改革重点项目，新培养方案下生物化学与分子生物学教学团队的建设与实践，2014-2015
3. 内蒙古科技大学教学改革重点项目，以课程体系建设推进生物技术专业创新人才培养（JY2011013），2012.1-2013.12
4. 内蒙古科技大学教学（教改）研究，一般项目，生物技术专业实验课教学模式的探讨和研究（JY2009068），2009.10-2010.12
5. 内蒙古科技大学校级精品课《分子生物学实验》负责人2014年
6. 内蒙古科技大学校级优秀教学团队《工科生物化学与分子生物学》负责人2015年

●荣誉称号

1. 2005年，内蒙古科技大学“师德先进”个人
2. 2008年，内蒙古科技大学“优秀共产党员”
3. 2010年，内蒙古科技大学“学科建设与研究生教育先进”个人
4. 2010年，内蒙古科技大学“巾帼建功：先进个人”
5. 2011年，内蒙古科技大学“优秀教师”奖
6. 2014年，内蒙古科技大学“巾帼建功：先进个人”
7. 2014年，包头市“5512工程”青年骨干
8. 2015年，内蒙古自治区321人才工程二层次人才
9. 2016年，内蒙古科技大学“优秀共产党员”

●代表性论著**SCI收录论文(*号为责任作者)**

1. Yongqiang Xing, Xiujuan Zhao, Tao Yu, Dong Liang, Jun Li, Guanyun Wei, Guoqing Liu, Xiangjun Cui, Hongyu Zhao, **Lu Cai***, MiasDB: A Database of Molecular Interactions Associated with Alternative Splicing of Human Pre-mRNAs. *Plos One*, 2016, 11(5): e0155443. (SCI, IF3.234)
2. Xiang-Jun Cui,Lu Cai, Yong-Qiang Xing, Xiu-Juan Zhao, Chen-Xia Shi, Influence factors on the correlations between expression levels of neighborin patterngenes. *Biosystem*, 2016, 139:23-28. (SCI, IF1.784)
3. Hongyu Zhao, Yongqiang Xing, Guoqing Liu, Ping Chen, Xiujuan Zhao, Guohong Li*, **Lu Cai***. GAA triplet-repeats cause nucleosome depletion in genome. *Genomics*, 2015, 106:88-95 (SCI, IF3.32)
4. G-Q Liu* F Feng X-J Zhao and **L Cai***, NucleosomeOrganization around Pseudogenes in the Human GenomeHindawi Publishing Corporation. *BioM International* 2015, Article ID 821596 (SCIIIF1.579)
5. Yongqiang Xing, Guoqing Liu, Xiujuan Zhao, Hongyu Zhao and **Lu Cai***, Genome-wide characterization and prediction of Arabidopsis thalianareplic *Biosystem* 2014, 124:1-6 (SCI, IF1.784)
6. Yong-qiang Xing & Guo-qing Liu & Xiu-juan Zhao & **Lu Cai***. An analysis and prediction of nucleosome positioning based oninformation content. *C Res.* (2013) 21:63-74 (SCI, IF3.23)
7. Yongqiang Xing Xiujuan Zhao and **Lu Cai***, Prediction ofnucleosome occupancy in Saccharomyces cerevisiae using position-correlationscoring func *Genomics* (2011) 98:359-366 (SCI, IF3.32)
8. Xiujuan Zhao Zhiyong Pei Jia Liu and **Lu Cai***, Prediction ofNucleosome DNA Formation Potential and Nucleosome Positioning Using Incrementof Combined with Quadratic Discriminant Analysis, *ChromosomeRes.* (2010) 18:777-785 (SCI, IF 3.23)
9. Xiujuan Zhao, Zhiyong Pei, Jia Liu, Sheng Qin, SongyeRen , LuCai* Nucleosome Positioning Prediction in C. elegans Based on Incrementof Divers with quadratic discriminant analysis. The 3rdInternational Conference on Advanced Computer Theory and Engineering (ICACTE2010) V1-266-2t
10. Lu Cai, Jia Liu and Xiujuan Zhao, Protein-Protein InteractionPrediction Using Increment of Diversity Combined with Quadratic DiscriminantAnaly International Congress on Computer Applications andComputational Science (CACS 2010), December 2010, Singapore (EI)
11. Lu Cai, Xiujuan Zhao, ZhiyongPei and Jia Liu. PredictingNucleosome Positioning based on DNA Sequence, 第四届全国生物信息学与系统生物学大会, 2010, 杭州
12. 赵秀娟, 韩雅楠, 蔡禄.氯化钠胁迫下的蒙古黄芪基因组MSAP分析, 广东农业科学(核心), 2011, 38(8):1-3.
13. 赵秀娟, 韩雅楠, 蔡禄. NaCl胁迫下的碱蓬基因组MSAP分析, 湖北农业科学, 2011, 50(18):3856-3858.
14. 赵秀娟, 韩雅楠, 张起群, 蔡禄. 盐胁迫对植物生理生化特性的影响, 湖北农业科学, 2011, 50(19):3897-3899.
15. 韩雅楠, 赵秀娟, 蔡禄. MSAP技术在植物抗逆性方面的应用[J]. 生物技术通报, 2010, 6:71-74,79.
16. 韩雅楠, 赵秀娟, 李艳君, 蔡禄.高盐方法提取蒙古黄芪基因组DNA的比较分析[J].湖北农业科学, 2010, 50(3):595-598.
17. 韩雅楠, 赵秀娟, 蔡禄*. 盐胁迫下碱蓬的DNA甲基化测定[A].内蒙古自治区生物信息学研究生学术论坛论文摘要集[C],2010.
18. 韩雅楠, 赵秀娟, 蔡禄*. 盐胁迫对蒙古黄芪DNA甲基的影响[A].中国植物学会植物细胞生物学2010年学术年会[C], 2010.
19. 赵秀娟裴智勇刘伟蔡禄, 离散量增量结合SVM预测酶母核小体定位, 生物物理学报, 2010, 26(5): 421-428
20. 韩雅楠赵秀娟蔡禄. MSAP技术在植物抗逆性方面的应用研究进展.生物技术通报, 2010, 6: 71-74
21. 朱文祥王金荣李琪赵秀娟. 植物组织培养中外植体褐化研究进展. 安徽农业科学, 2010, 38(31):17399-17401
22. 赵秀娟蔡禄. 基于SVM酶母核小体定位的分类预测.生物物理学报, 2009, 25: 175
23. 蔡禄赵秀娟. 核小体定位研究进展.生物物理学报, 2009, 25(6):385-394

●专著与教材

1. 乃利兵赵秀娟等主编, 动物细胞工程(40万字), 2011年, 吉林, 吉林大学出版社
2. 蔡禄赵秀娟等主编, 表观遗传学前沿(50万字), 2012年, 北京, 清华大学出版社

●教学情况

为本科生、研究生讲授过《分子生物学》、《微生物学》、《生物化学》、《分子生物学实验》、《遗传学研究进展》和《分子遗传学》等课程。