



## 高武军

发布时间:2016-02-24 17:01:35 浏览次数: 1615



姓名: 高武军

职称: 教授(硕导)

办公电话: 13569814594

电子邮箱: gaowujun@htu.cn

个人简介:
<p>博士, 教授, 河南省学术技术带头人、河南省高校科技创新团队带头人、河南省高等学校青年骨干教师、河南师范大学优秀青年科研创新人才。2008年6月获河南大学理学博士学位。主要从事植物性别决定及分化机制研究, 先后主持国家自然科学基金面上项目2项、河南省高校科技创新团队项目、河南省河南省重点科技攻关等省部级以上科研项目5项, 参加国家自然科学基金项目2项。在《BMC plant biology》、《Planta》、《Genes》等SCI期刊发表学术论文20余篇, 其中生物二区以上论文3篇。承担本科生和研究生《普通遗传学》、《细胞遗传学》和《表观遗传学》等多门课程, 获得河南省高等教育优秀教学成果奖2项, 是遗传学国家级精品课程、遗传学省级教学团队骨干成员。</p>
研究领域:
<p>1. 植物性别决定及分化的分子机制</p> <p>2. 植物性染色体起源及演化的细胞及表观遗传学机制</p> <p>所带领的课题组在植物基因组重复序列比较基因组学、中期染色体FISH、减数分裂粗线期染色体FISH、DNA-Fiber FISH等植物细胞学技术方面具有了一定的特色和优势, 也是国内目前研究植物性别及性染色体起源演化机制的主要课题组之一。</p>
主要学术及社会兼职:
河南省遗传学会理事
主持或参加科研项目情况:
<p>1. 石刁柏Y染色体Tyl-copia反转座子分离及其激发Y染色体异染色质化的表观修饰机制解析(31470334), 国家自然科学基金项目(面上), 80万元, 主持人, 2015.1-2018.12。</p> <p>2. 石刁柏性染色体DNA及组蛋白甲基化模式分析(30970211), 国家自然科学基金项目(面上), 28万元, 主持人, 2010.1-2012.12。</p> <p>3. 动植物性别决定及分化机制研究(17IRTSTH017), 河南省高校科技创新团队, 100万元, 主持人, 2017.1-2018.12。</p> <p>4. 5-aza对石刁柏性染色体表观遗传模式的影响(102300410043), 河南省基础与前沿技术项目, 5万元, 主持人, 2010.1-2012.12。</p> <p>5. 芦笋超雄株性别标签开发与“全雄系”种质资源的培育(132102110195), 河南省重点科技攻关项目, 10万元, 主持人, 2013.1-2015.12。</p> <p>6. 基于高通量测序的石刁柏性别特异反转录转座子鉴定及染色体定位(2013GGJS-060), 河南省高等学校青年骨干教师资助项目, 4万元, 主持人, 2014.1-2016.12。</p> <p>7. 基于性染色体特异反转座子分析的石刁柏性染色体演化研究(31300202), 国家自然科学基金(青年基金), 23万元, 参加(第2名), 2014.1-2016.12。</p>
学术成果:
<p>代表性论文:</p> <p>1. Shu-Fen Li, Guo-Jun Zhang, Xue-Jin Zhang, Jin-Hong Yuan, Chuan-Liang Deng, Wu-Jun Gao*. Comparative transcriptome analysis reveals differentially expressed genes associated with sex expression in garden asparagus (<i>Asparagus officinalis</i>). BMC Plant Biol, 2017, 17(1):143-158. (IF=3.964, 生物2区)</p>

2. Shu-Fen Li, Guo-Jun Zhang, Jin-Hong Yuan, Chuan-Liang Deng, Wu-Jun Gao\*. Repetitive sequences and epigenetic modification: inseparable partners play important roles in the evolution of plant sex chromosomes. *Planta*, 2016, 243(5): 1083-1095. (IF=3.361, 生物2区)
  3. Shu-Fen Li, Ting Su, Guang-Qian Cheng, Bing-Xiao Wang, Xu Li, Chuan-Liang Deng and Wu-Jun Gao \*. Chromosome evolution in connection with repetitive sequences and epigenetics in plants. *Genes*, 2017, 8(10): 290-308. (IF=3.600)
  4. Shu-Fen Li, Guo-Jun Zhang, Xue-Jin Zhang, Jin-Hong Yuan, Chuan-Liang Deng, Lian-Feng Gu, Gao WJ\*. DPTEdb, an integrative database of transposable elements in dioecious plants. *Database*, 2016: baw078. (IF=3.290, 生物2区)
  5. Shu-Fen Li, Wu-Jun Gao\*, Xin-Peng Zhao, Tian-Yu Dong, Chuan-Liang Deng, Long-Dou Lu. Analysis of transposable elements in the genome of *Asparagus officinalis* from high coverage sequence data. *PLoS One*, 2014, 9(5): e97189.
  6. Shu-Fen Li, Guo-Jun Zhang, Xu Li, Lian-Jun Wang, Jin-Hong Yuan, Chuan-Liang Deng, Wu-Jun Gao\*. Genome-wide identification and validation of simple sequence repeats (SSRs) from *Asparagus officinalis*. *Mol Cell Probe*, 2016, 30(3): 153-160.
  7. Wu-Jun Gao, Shu-Fen Li, Zhong-Xia Li, Ying-Ying Huang, Chuan-Liang Deng, Long-Dou Lu, Detection of genome DNA methylation change in spinach induced by 5-azaC, *Mol Cell Probe*, 2014, 28(4): 163-166.
  8. Wu-Jun Gao, Shu-Fen Li, Guo-Jun Zhang, Chuan-Liang Deng, Long-Dou Lu, Comparative analysis of gene expression by microarray analysis between male and female flowers of *Asparagus officinalis*, *Biosci, Biotechnol Biochem*, 2013, 77(6): 1193-1199.
  9. Shu-Fen Li, Guo-Jun Zhang, Xue-Jin Zhang, Jin-Hong Yuan, Chuan-Liang Deng, Zan-Min Hu, Wu-Jun Gao \*. Genes encoding  $\Delta 8$ -sphingolipid desaturase from various plants: identification, biochemical functions and evolution. *J Plant Res*, 2016, 129(5): 979-987.
  10. Shu-Fen Li, Guo-Jun Zhang, Jin-Hong Yuan, Chuan-Liang Deng, Long-Dou Lu, Wu-Jun Gao \*. Effect of 5-azaC on the growth, flowering time and sexual phenotype of spinach. *Russ J Plant Physiol*, 2015, 62, (5): 670-675.
- 专利成果:
1. 高武军, 李书粉, 王连军, 张国俊, 邓传良, 卢龙斗. 一种鉴别蕈草性别的分子生物学方法. ZL201310548829.0, 2015.4.15 (授权)
  2. 高武军, 李书粉, 侯翠翠, 袁金红, 邓传良. 石刁柏染色体荧光原位杂交的着丝粒标记及其应用. 201610314188.6, 2016.5.17 (受理)