

基于单核苷酸多态性的基因互作分析方法学进展

栾奕昭¹, 左晓宇², 刘轲², 李谷¹, 饶绍奇^{1,2}

1. 广东医学院医学系统生物学研究所与公共卫生学院, 东莞 523808;

2. 中山大学公共卫生学院, 广州 510080

Advances in development of gene-gene interaction analysis methods based on SNP data: a review

LUAN Yi-Zhao¹, ZUO Xiao-Yu², LIU Ke², LI Gu¹, RAO Shao-Qi^{1,2}

1. Institute for Medical Systems Biology and School of Public Health, Guangdong Medical College, Dongguan 523808, China;

2. School of Public Health, Sun Yat-sen University, Guangzhou 510080, China

摘要

图/表

参考文献 (35)

相关文章 (0)

综合新闻 学术会议 遗传咨询 网络资源 学术讨论 科普之窗 新书咨询
科研院所 国内实验室 国外实验室 科学基金 学术团体 生命科学期刊 高新企业
成果展示 生物学家 遗传学史 招生信息 招聘信息 人才推荐 学风建设

© 中国遗传学会 中国科学院遗传与发育生物学研究所 欢迎阅读及检索本刊 引用时请注明出处