

分析植物应答环境因子的一种有效平台——DNA微阵列

王珍, 种康^①, 许智宏

中国科学院植物研究所 光合作用和环境分子生理学重点实验室 分子与发育生物学研究中心;北京 100093

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 随着植物基因组测序工程的迅速发展,大量的DNA 序列不断地快速对外公布。如何把这庞大的核苷酸序列信息与植物的生命活动有机地联系起来?高通量的DNA 微阵列技术是连接植物基因组序列信息和植物功能基因组的桥梁;而且,这一技术在分析基因表达谱和基因的功能上已经得到了应用。通过简要叙述DNA 微阵列技术的几个特点,着重分析近几年来该技术在研究植物对环境胁迫的响应机制以及环境信号间相互作用方面的应用。

关键词 [DNA 微阵列](#) [基因表达谱](#) [信号网络](#) [胁迫](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(351KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 包含“DNA 微阵列”的 [相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [王珍](#)
- [种康](#)
- [许智宏](#)