

早麦草属种质资源的随机扩增多态性DNA (RAPDs)分析

张继益¹, 董玉琛², 贾继增², 蒋观敏¹

1.河北农业大学农学院;保定 071001; 2.中国农科院作物品种资源研究所;北京 100081

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用31个10bp随机引物对来自我国新疆和中东地区的11份早麦草属种质资源的材料以及两个普通小麦亲本和1个普通与东方早麦草的远缘杂种后代进行了RAPD分析。对扩增形成的321条谱带进行的研究发现,该属植物在新疆地区具有较丰富的遗传多样性,同时还将1个根据形态性状定名为光穗早麦草的样品修正为东方早麦草。研究还揭示出早麦草属与普通小麦之间有明显的遗传分化,并发现四倍体光穗早麦草的两个基因组分别来自二倍体光穗早麦草和毛穗早麦草。结合前人研究结果,建议将光穗早麦草的两种细胞类型分列为两个独立的物种,将3个二倍体物种——光穗早麦草、毛穗早麦草和早麦草的基因组符号分别定为F、Fd和Ft。同时还提出了三者的起源演化关系。

关键词 [早麦草属](#) [RAPD](#) [小麦种质资源](#) [基因组分析](#) [分子分类](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1013KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“早麦草属”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [张继益](#)
- [董玉琛](#)
- [贾继增](#)
- [蒋观敏](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者