

扩展功能

本文信息

- [Supporting info](#)
- [PDF\(787KB\)](#)
- [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

参考文献

- [服务与反馈](#)
- [把本文推荐给朋友](#)
- [加入我的书架](#)
- [加入引用管理器](#)
- [复制索引](#)

Email Alert

文章反馈

浏览反馈信息

相关信息

- [本刊中 无 相关文章](#)
- [本文作者相关文章](#)

- [甘人宝](#)
- [王珩](#)
- [储美瑾](#)
- [徐敏](#)
- [李载平](#)

蓖麻蚕核糖体RNA基因外转录间隙区(ETS)部分顺序

甘人宝, 王珩, 储美瑾, 徐敏, 李载平

中国科学院上海生物化学研究所

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 根据rRNA杂交定位的结果, 分离了带有外转录间隙区(ETS)的蓖麻蚕RRNA基因次级克隆pARI的BamHI-PstI片段。利用部分酶解法作了较精细的内切酶谱, 测定了各片段的大小。由BamHI 5'端, 对该片段进行了顺序分析, 在已测定的BamHI-AluI片段的219个核苷酸顺序中, 酶切位点的识别顺序的定位与部分酶切法的定位结果一致, 片段中可能存在4个反向重复顺序。

关键词

分类号

Part of External Transcribed Spacer (ETS) Sequence of the Silkworm Attacus ricin irDNA

Gan Renbao, Wang Heng, Chu Meijin, Xu Min, Li Zaipin

Institute of Biochemistry Academia Sinica, Shanghai

Abstract

According to the results of gene localization, we have isolated the BamHI-PstI fragment of ETS (External transcribed spacer) of rRNA gene of silkworm *Attacus ricini* from a subclone pAR II. The detailed restriction map of this fragment has been analyzed by partial digestion method, and the nucleotide sequence of this fragment has been analyzed from the BamHI 5'-end. From the 210 bp sequence obtained, it revealed that, the restriction sites are all in good agreement with those by partial digestion method, and four different short inverted repeats probably present within this sequence.

Key words

DOI:

通讯作者