

# 用长PCR方法检测含有较大缺失或插入的DNA大片段 Long PCR Amplification of Fragment with Large Deletion or Insertion Allelic

武辉, 张思仲 WU Hui, ZHANG Si-zhong

华西医科大学附属第一医院医学遗传研究室, 成都 610041 Department of Medical Genetics, West China University of Medical Sciences, Chengdu 610041

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 选择位于19q13.3上的人类肌张力蛋白激酶基因(myotonin protein kinase gene, MT-PK)为靶基因(基因全长为14kb),以G+C含量较高且含有1kb缺失或插入,由基因第8内含子中的Alu±1kb的5'端至第15外显子3'非编码区中的CTG重复序列3'端,即两者间的距离为5.3kb的DNA片段为待扩增靶序列,通过优化DNA聚合酶的组合和反应缓冲体系,点考查了含有Alu-1kb和Alu+1kb缺失或插入的MT-PK等位基因片段共扩增的长PCR方法。本方法可有效地同步扩增6.5kb和5.5kb两个等位基因片段,对6.5kb和5.5kb纯合等位片段则达到了更有效的扩增。

**关键词** [长PCR](#) [等位基因共扩增](#) [缺失和插入](#)

分类号

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#)(586KB)
- ▶ [HTML全文](#)(0KB)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“长PCR”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
  - [武辉](#)
  - [张思仲WU Hui](#)
  - [ZHANG Si-zhong](#)

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者