

# 木蓝根瘤菌的16S rDNA全序列分析及DNA-DNA杂交

韦革宏<sup>1, 2</sup>, 陈文新<sup>2</sup>, 朱铭莪<sup>1</sup>

1.西北农林科技大学资源与环境科学系;杨凌 712100; 2.中国农业大学生物学院;北京 100094

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 通过数值分类、SDS-全细胞蛋白电泳分析,对分离自西北黄土高原地区的木蓝根瘤菌进行了研究,获得了1个新类群。在此基础上,进行了中心菌株SHL042的16S rDNA全序列分析,得到系统发育树状图。SHL042与*R. tropici* A、*R. tropici* B、*R. leguminosarum*、*R. etli*、*R. hananensis*、*R. mongolense*和*R. gallicum*构成一个发育分支,其与这些种模式菌株16S rDNA全序列的相似性分别为95.4%、95.5%、96.3%、95.8%、96.3%、97.9%和97.7%,均大于95%,应属于同一个属。新类群内DNA同源性大于80%,而中心菌株SHL042与分支内各已知种的DNA同源性小于50%,表明SHL042代表1个新的根瘤菌菌种。

**关键词** [根瘤菌](#) [木蓝](#) [16S rDNA全序列](#) [DNA-DNA杂交](#)

分类号

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(271KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“根瘤菌”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [韦革宏](#)
- [陈文新](#)
- [朱铭莪](#)