

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 蝮亚科蛇线粒体细胞色素*b*基因序列分析及其系统发育*

作者: 周继亮 张亚平 黄美华 陈永久 陈小青 姚耿东

浙江大学医学院, 杭州

摘要: 对中国产蝮亚科(Crotalinae)亚洲蝮属(*Gloydius*)6种蛇(其中短尾蝮取自两个不同地区)[短尾蝮*Gloydius brevicaudus* (Stejneger), 黑眉蝮*Gloydius saxatilis* (Emelianov), 蛇岛蝮*Gloydius shedaoensis* (Zhao), 雪山蝮*Gloydius strauchi* (Bedriaga), 高原蝮*Gloydius strauchi monticola* (Werner), 乌苏里蝮*Gloydius ussurriensis* (Emelianov)]与竹叶青属竹叶青蛇*Trimeresurus stejnegeri* Schmidt共7种蛇8个个体测定了789 bp或744 bp线粒体细胞色素*b*基因序列, 用MEGA1.02软件分析了其碱基组成及变异情况, 以游蛇科链蛇属半棱鳞链蛇*Di nodon semicarinatus*序列为外群, 用PAUP4.0b2软件构建最简约分子系统树。结果显示, 竹叶青蛇在全部受试物种中处于原始地位, 分布于东北地区的蛇岛蝮、乌苏里蝮、黑眉蝮与浙江和陕西产的短尾蝮所组成的分枝与横断山区的高原蝮、雪山蝮聚集形成的分枝组成姐妹群, 支持分布于中国境内的亚洲蝮属蛇种的两个起源及分化地的假说, 同时探讨了蝮蛇的分类地位问题。

关键词: 蝮亚科 细胞色素*b*基因 序列分析 分子系统树

这篇文章摘要已经被浏览 1353 次, 全文被下载 785 次。

[下载PDF文件 \(290334 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>