

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 蓖麻蚕线粒体基因组细胞色素氧化酶亚基III的序列及其分子进化分析

作者: 魏兆军, 赵巧玲, 张志芳, 肖庆利, 王章娥, 何家禄

摘要: 测定了蓖麻蚕*Samia cynthia ricini*线粒体基因组(mtDNA)含完整的细胞色素氧化酶亚基III(COX3)、tRNA-Gly和部分的NADH亚基III(ND3)基因的DNA片段序列。COX3基因编码框包含789个核苷酸, 编码262个氨基酸的蛋白质。通过同源性比较, 发现COX3基因的3'端比5'端要保守, 其编码的蛋白在C端有两个保守序列存在。COX3的下游为66 bp的tRNA-Gly基因。蓖麻蚕的COX3与家蚕COX3同源性最高, 核苷酸和氨基酸序列同源性分别是80.2%和85.6%。根据COX3氨基酸序列进行了12种无脊椎动物的分子进化树分析, 认为在采用线粒体基因序列进行分子进化分析时, 应该综合考虑物种的繁殖模式及生态特点。

关键词: 线粒体DNA; 蓖麻蚕; COX3基因; 分子进化

这篇文章摘要已经被浏览 51 次, 全文被下载 17 次。

[下载PDF文件 \(343534 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>