

麂属(Muntiacus)动物线粒体12S rRNA、细胞色素b基因和多药耐药基因序列分析及其分子进化关系

易广才², 张晓梅¹, 单祥年^{1, 2}

1.东南大学基础医学院;南京 210009; 2.南京师范大学生命科学学院;南京 210009

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 对麂属(Muntiacus)中的3种动物: 赤麂(M. muntjak) (2n=6♀, 7♂)、小鹿(M. reevesi) (2n=46)、黑麂(M. crinifrons) (2n=8♀, 9♂)线粒体DNA 12S rRNA和细胞色素b基因784bp左右的片段和核基因-多药耐药基因(multidrug resistance, MDR1)的728bp左右的片段进行了序列分析, 并根据序列信息建立了分子系统树, 同时探讨了这3种动物的起源、分类地位及进化关系。

关键词 [麂属](#) [12S rRNA基因](#) [细胞色素b基因](#) [多药耐药\(MDR1\)基因](#) [序列分析](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(266KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“麂属”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [易广才](#)
 - [张晓梅](#)
 - [单祥年](#)
 -

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者