



第07版: 生物科技

上一篇 下一篇

上一篇 下一篇

2020年08月25日 星期二

放大 缩小 默认

空间转录组分析可研究 阿尔茨海默病细胞改变



《细胞》
2020.8.20

虽然科学家已经在阿尔茨海默病(AD)的淀粉样斑块周围观察到复杂的炎性样改变,但对表征炎性反应的分子变化和细胞相互作用知之甚少。通过AD小鼠模型,比利时VIB大脑与疾病研究中心的陈威艇(音译)等研究人员,利用空间转录组学研究了淀粉样斑块周围直径100微米组织结构域的转录变化。研究证实富含髓鞘和少突胶质细胞基因(OLIGs)的基因共表达网络在发病早期发生了改变,而斑块诱导基因的多细胞基因共表达网络,包括补体系统、氧化应激、溶酶体和炎性分子,在疾病的后期表现突出。研究人员通过对小鼠和人脑切片的原位测序,对之前观察到的改变从细胞水平上进行了证实。全基因组空间转录组分析提供了一个前所未有的方

上一篇 下一篇

- ➔ 几分钟“尝”出17种水污染物 这种检测平台的“味蕾”竟来自细菌
- ➔ 新技术让透析用 动静脉瘘持久通畅
- ➔ 空间转录组分析可研究 阿尔茨海默病细胞改变
- ➔ 依靠独特导航能力 海龟在深海找到繁殖地
- ➔ 无需缝合,自动降解 新型人造皮肤破解大面积损伤修复难题



第07版: 生物科技

上一篇 ◀ ▶ 下一篇

◀ 上一篇 下一篇 ▶

2020年08月25日 星期二

放大 ⊕ 缩小 ⊖ 默认 ○

空间转录组分析可研究 阿尔茨海默病细胞改变



《细胞》
2020.8.20

虽然科学家已经在阿尔茨海默病(AD)的淀粉样斑块周围观察到复杂的炎性样改变,但对表征炎性反应的分子变化和细胞相互作用知之甚少。通过AD小鼠模型,比利时VIB大脑与疾病研究中心的陈威艇(音译)等研究人员,利用空间转录组研究了淀粉样斑块周围直径100微米组织结构域的转录变化。研究证实富含髓鞘和少突胶质细胞基因(OLIGs)的基因共表达网络在发病早期发生了改变,而斑块诱导基因的多细胞基因共表达网络,包括补体系统、氧化应激、溶酶体和炎性分子,在疾病的后期表现突出。研究人员通过对小鼠和人脑切片的原位测序,对之前观察到的改变从细胞水平上进行了证实。全基因组空间转录组分析提供了一个前所未有的方法,可用来发现与AD和其他脑病病症有关的细胞网络改变。

- ➔ 几分钟“尝”出17种水污染物 这种检测平台的“味蕾”竟来自细菌
- ➔ 新技术让透析用 动静脉瘘持久通畅
- ➔ 空间转录组分析可研究 阿尔茨海默病细胞改变
- ➔ 依靠独特导航能力 海龟在深海找到繁殖地
- ➔ 无需缝合,自动降解 新型人造皮肤破解大面积损伤修复难题

◀ 上一篇 下一篇 ▶