



## 城环所在雌激素降解菌研究方面取得新进展

文章来源: 城市环境研究所

发布时间: 2011-06-28

【字号: 小 中 大】

中科院城市环境研究所城市环境与健康重点实验室环境生物技术课题组近期完成鞘氨醇单胞菌KC8 (*Sphingomonas strain KC8*) 全基因组测序, 是国际上第一例雌激素降解菌的全基因组序列测定。

雌激素是一类重要的环境内分泌干扰物 (endocrine-disrupting compounds), 由于环境雌激素对野生动物及人类健康有着潜在危害, 研究雌激素在环境中迁移转化及降解具有重要意义。长期研究表明, 微生物降解途径是去除环境中雌激素活性的主要方式。虽然目前已陆续有雌激素降解菌被分离培养, 然而有关雌激素的微生物降解机制尤其是基因层次方面尚不清楚。鞘氨醇单胞菌KC8基因组测序的完成将为后续的功能基因分析提供重要依据。

助理研究员胡安谊博士为第一作者, 研究员于昌平博士为文章通讯作者。该工作得到中国科学院、科技部和厦门市资助。

相关成果已在 *Journal of Bacteriology* 杂志在线发表 (Anyi Hu, Jibing He, Kung-Hui Chu, Chang-Ping Yu. 2011. *Genome Sequence of a 17β-Estradiol-Utilizing Bacterium Sphingomonas Strain KC8*. doi:10.1128/JB.05356-11)。

打印本页

关闭本页