

小麦淀粉粒束缚淀粉合成酶基因多态性的分子鉴定

宋建民^{1, 2}, 李保云¹, 尤明山¹, 梁荣奇¹, 常成¹, 刘守斌¹, 唐朝晖¹, 刘广田¹, ①

1. 中国农业大学植物遗传育种系;北京 100094;2. 山东省农业科学院作物研究所;济南 250100

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 运用6%的SDS-PAGE对14个小麦品种成熟籽粒Wx蛋白的多态性进行了鉴定。结果表明, 14个小麦品种根据其Wx蛋白的缺失情况可分为6种组合类型。另外, 根据Wx-A1、Wx-B1和Wx-D1这3个位点基因序列和变异情况分别设计了PCR引物, 结果表明: Wx-A1位点突变材料扩增产物为327 bp, 正常材料中扩增不到该特异带; 在Wx-B1位点扩增出187 bp目标带, 突变材料没有该扩增产物; 在Wx-D1位点扩增出约700 bp目标带, 突变材料没有该特异带。与前人的研究结果相比, Wx-B1引物在3个位点的扩增产物长度更短, 差异更大, 在2%琼脂糖胶上即可清楚分开, 缩短了鉴定时间, 提高了效率, 为大规模筛选优质面条小麦品种提供了可能。

关键词 [小麦](#) [淀粉粒束缚淀粉合成酶基因](#) [多态性](#) [分子鉴定](#)

分类号

1. Department of Plant Genetics and Breeding; China Agricultural University; Beijing 100094; China; 2. Crop Research Institute; Shandong Academy of Agricultural Sciences; Jinan 250100; China

Abstract

Key words [wheat](#) [granule bound starch synthase gene](#) [polymorphism](#) [molecular identification](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(307KB\)](#)
- ▶ [HTML全文\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中包含“小麦”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [宋建民](#)
-
- [李保云](#)
- [尤明山](#)
- [梁荣奇](#)
- [常成](#)
- [刘守斌](#)
- [唐朝晖](#)
- [刘广田](#)
-