

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期, undefined - undefined 页

题目: 从线粒体DNA控制区核苷酸序列论达式鲟、亚洲和北美洲中吻鲟的分类地位

作者: 张四明 吴清江 张亚平

中国科学院昆明动物研究所细胞与分子开放实验室, 昆明

摘要: 尽管古老的鲟形目鱼类的分类及系统演化一直是中外学者感兴趣的研究课题, 但迄今仍有诸多谜团未解。其中, 关于亚洲远东地区和北美地区的中吻鲟 (*Acipenser medirostris*) 的分类地位争论已久。长江水系的达式鲟 (*A. dabryanus*) 和中华鲟 (*A. sinensis*) 及其它鲟属 (*Acipenser*) 鱼类之间的亲缘关系近年来也有异议。为了给上述争议提供更多的科学依据, 作者测定了线粒体DNA (mtDNA) 控制区 (D-loop) 的核苷酸序列, 并进行了分子系统学和遗传差异分析。研究表明: (1)UPGMA, NJ和MP分子系统学分析方法以及遗传差异分析都支持了亚洲远东地区中吻鲟和北美中吻鲟为一个有效种的观点; (2)同样研究方法并结合相关群体遗传资料表明, 长江达式鲟与中华鲟关系最近, 提出了达式鲟为中华鲟的一陆封类群的假说。最后, 作者认为本文提出的观点和假说还需要更多的研究来证实。

关键词: 中吻鲟 达式鲟 中华鲟 系统学 线粒体控制区

这篇文章摘要已经被浏览 1580 次, 全文被下载 1294 次。

[下载PDF文件 \(252475 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kcxb@ioz.ac.cn](mailto:kcxb@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>