

# 单核苷酸多态性检测分析技术Detection for Single Nucleotide Polymorphisms

高秀丽1, 景奉香1, 杨剑波2, 赵建龙1 GAO Xiu-Li1, JING Feng-Xiang1, YANG Jian-Bo2, ZHAO Jian-Long1

1.中国科学院上海微系统与信息技术研究所, 上海200050; 2. 安徽省农业科学院, 合肥 230031  
1.Shanghai Institute of Microsystem and Information Technology Chinese Academy of Science, Shanghai 200050, China; 2. Academy of Agricultural Sciences of Anhui Province, Hefei 230031, China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

## 摘要

单核苷酸多态性(SNP)作为第三代遗传标记已经广泛用于基因作图、疾病相关性分析、群体遗传学及药物研究等领域。文中系统地介绍了目前国内外主要的SNP检测技术,任何一种SNP的检测方法都可将之看成由两部分组成,即区分SNP位点的原理方法和数据的检测分析手段,文章对这两部分做了较详细的介绍,并对SNP检测技术的发展进行了展望。

Abstract :As the third generation of genetic markers SNPs (single nucleotide polymorphisms) has been used extensively in gene mapping,disease-correlativity analysis ,population genetics and drug research.Here methods for detection are reviewed.Most SNP genotyping are a combination of method for interrogating SNPs and analysis technique.It described both parts and give a outlook for detection.

关键词 [单核苷酸多态性](#) [检测技术](#)Key words [single nucleotide polymorphisms](#) [genotyping](#)

分类号

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“单核苷酸多态性”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [高秀丽](#)
- [景奉香](#)
- [杨剑波](#)
- [赵建龙GAO Xiu-Li](#)
- [JING Feng-Xiang](#)
- [YANG Jian-Bo](#)
- [ZHAO Jian-Long](#)

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者