中文版 | English

登录 注册

多语种信息技术研究室知识库

ALL 精确检索请加双引号 Go

首页 研究单元&专题 作者 文献类型 学科分类 知识图谱 新闻&公告

XJIPC OpenIR > 多语种信息技术研究室

一种蛋白质自相互作用的预测方法

陈治衡; 尤著宏; 李晓; 蒋同海[1]; 王陆瑶; 方贵斌; 陈治兴

2018-01-19

专利权人 中国科学院新疆理化技术研究所

授权日期 2020-07-28

专利类型 发明专利

摘要 本发明公开了一种蛋白质自相互作用的预测方法，该方法包括数据集的选择与建立，PSSM矩阵的生成，傅里叶描述子提取特征值，训练集和测试集的构建，分类器模型构建步骤完成，该方法是利用傅里叶描述子提取样本集的特征值，使计算机计算数据集的毫秒博里叶变换所需的算法次数大为减少，也节省了计算量；本发明能够利用随机投影的方法构建模型，大大提高了预测精度，能够得到比较好的预测效果；本发明方法计算代价低，功耗小；可以有效地预测蛋白质的自相互作用，预测效果可以达到93%以上。

申请日期 2017-11-02

专利状态 已授权

申请号 CN201711062661.7

公开（公告）号 CN107609352B

代理机构 乌鲁木齐中科新兴专利事务所 65106

文献类型 专利

条目标识符 http://ir.tianshanzw.cn/handle/365002/6468

专题 多语种信息技术研究室

推荐引用方式 GB/T 7714 陈治衡;尤著宏;李晓;蒋.一种蛋白质自相互作用的预测方法.CN107609352B[P].2018-01-19.

条目包含的文件

条目无相关文件。

所有评论 (0) 提交评论/评论/查阅

暂无评论

版权所有 ©2018 - 2024 中国科学院新疆理化技术研究所 - Powered by CSpace

地址邮编: 新疆乌鲁木齐市北京南路40-1号（830011） 电话: 0991-3838931