

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 史氏鲟免疫球蛋白重链可变区序列及多样性

作者: 刘红柏 王 荻

中国水产科学研究院黑龙江水产研究所

摘要: 为了研究史氏鲟免疫球蛋白重链可变区基因的组织结构和多样性, 采用RT-PCR技术从史氏鲟 (*Acipenser schrenckii*) 脾脏总RNA中获得了免疫球蛋白重链可变区cDNA克隆, 随机挑取31个阳性克隆进行测序。结果表明: 所有序列相同率高于75%, 前导肽相同率高于90%, 应属于同1个VH家族。其变异主要存在于互补性决定区, 特别是CDR3区。在D片断序列中发现大量保守的基因序列 (motif)。并发现多个VH基因片断可以共用一个J片断的现象。在基因组DNA重排过程中, VH片断可以与任意的D和J片断结合。此外, 史氏鲟免疫球蛋白重链可变区的VH, D和J片断的随机重排外, 外切核酸酶作用, 以及在重排位点大量N, P片断的插入现象, 都大大增加了鲟鱼免疫球蛋白的多样性[动物学报52(3): 557-563, 2006]。

关键词: 史氏鲟 免疫球蛋白 重链 可变区 多样性

通讯作者: 刘红柏 (E-mail: liulhb@hotmail.com)。

这篇文章摘要已经被浏览 392 次, 全文被下载 311 次。

[下载PDF文件 \(1073318 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcxb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>