



您现在的位置: 生命科学学院 >> 分子生物学与生物信息学系 >> 正文

#### 师资简介

- 植物学系
- 植物生理与发育生物学系
- 生物化学与细胞生物学系
- 分子生物学与生物信息学系
- 制药工程系
- 生物分析科学系
- 学院行政
- 教师情况
- 科研人员

#### 巩晓东



巩晓东, 男, 1982年出生, 在读博士, 副教授, 硕士生导师。

#### 招生专业:

生物化学与分子生物学、生物工程

#### 教育经历:

1. 2013/9-至今, 河北农业大学, 植物学, 博士,
2. 2004/9 - 2007/7, 西北农林科技大学, 生物物理学(生物信息学方向)
3. 2000/9 - 2004/7, 河南农业大学, 生物技术, 学士

#### 主要研究领域:

病原微生物致病基因生物信息学挖掘与分析、玉米大斑病菌信号转导途径及致病机制的研究。

#### 主讲课程:

《生物信息学》、《分子生物学实验II》和生《物软件及数据库应用》等课程。

#### 主要承担科研项目:

1. 国家自然科学基金青年项目, 31701741, 几丁质合酶基因调控玉米大斑病菌细胞壁发育及侵染的分子机制, 2018/01-2020/12, 25万元, 在研, 主持
2. 国家自然科学基金面上项目, 31671983, 转录因子StMsn2调控玉米大斑病菌高渗透胁迫反应及致病性的分子机制研究, 60万元, 在研, 主研
3. 河北省自然科学基金青年项目, C2016204164, 玉米大斑病菌NHEJ途径关键基因StKU80的功能研究, 2016/01-2018/12, 4万元, 在研, 主持
4. 国家自然科学基金面上项目, 31271997, 转录因子Ste12调控玉米大斑病菌侵染过程的分子机制, 2013/01-2016/12, 80万元, 已结题, 主研
5. 河北省研究生创新资助项目, 玉米大斑病菌高效靶向基因敲除受体的创制, 2015/06-2016/06, 1万元, 已结题, 主持

#### 主要获奖情况:

1. “玉米大斑病菌PMK级联途径关键基因对侵染致病的调控机制”, 获2017年获河北农业大学自然科学一等奖。(排名第一)
2. “MAPK级联途径调控玉米大斑病菌发育及致病性的分子机制”, 获2017年获保定市科技进步二等奖。(排名第二)
3. “病原微生物致病基因的挖掘及生物信息学分析”, 获2016年河北农业大学自然科学二等奖。(排名第一)
4. “紫菀种质资源鉴定和种苗质量控制体系构建”, 或2013年度河北省山区创业三等奖。(排名第六)
5. “体细胞核移植牛中基因表达与DNA甲基化研究”, 2009年获河北省自然科学二等奖。(排名第十)

#### 主要代表性论文:

1. **Gong, Xiao-Dong**; Feng, Sheng-Ze; Zhao, Jie; Tang, Cong; Tian, Lan; Fan, Yong-Shan; Cao, Zhi-Yan; Hao, Zhi-Min; Jia, Hui; Zang, Jin-Ping; Zhang, Yun-Feng; Han, Jian-Min; Gu, Shou-Qin<sup>\*</sup>; Dong, Jin-Gao<sup>\*</sup>. *StPBS2*, a MAPK kinase gene, is involved in determining hyphal morphology, cell wall development, hypertonic stress reaction as well as the production of secondary metabolites in Northern Corn Leaf Blight pathogen *Setosphaeria turcica*. Microbiological research, 2017, 201: 30-38.
2. 巩晓东, 刘星辰, 赵立卿, 郑亚男, 范永山, 韩建民<sup>\*</sup>, 谷守芹<sup>\*</sup>, 董金皋<sup>\*</sup>. 高渗透胁迫对玉米大斑病菌生长发育的影响及菌丝细胞中渗透调节物质的分析, 中国农业科学, 2017, 50(10): 1922-1929
3. LI Po<sup>#</sup>, **Gong Xiao-dong**<sup>#</sup>, Jia Hui, ZHANG Pan, ZANG Jin-ping, FAN Yong-shan, Zhang Yun-feng, CAO Zhi-yan, HAO Zhi-min, HAN Jian-min<sup>\*</sup>, GU Shou-qin<sup>\*</sup>, DONG Jin-gao<sup>\*</sup>. MAP kinase gene *STK1* is required for hyphal, conidial, and appressorial development, toxin biosynthesis, pathogenicity, and hypertonic stress response in the plant pathogenic fungus *Setosphaeria turcica*. Journal of Integrative Agriculture 2016, 15(12): 2786–2794.
4. Qi XM, Chen GG, **Gong XD**, Fu GQ, Niu YS, Bian J, Peng F<sup>\*</sup>, Sun RC<sup>\*</sup>. Enhanced mechanical performance of biocompatible hemicelluloses-based hydrogel via chain extension. Sci Rep. 2016.9.16,6
5. 巩晓东, 王玥, 张盼, 范永山, 谷守芹<sup>\*</sup>, 韩建民<sup>\*</sup>, 董金皋<sup>\*</sup>. 玉米大斑病菌MAPK基因*StIME2*的基因组定位、蛋白质结构预测及表达分析. 中国农业科学, 2015, 48(13): 2549-2558.
6. Shouqin Gu, Po Li, Min Wu, Zhimin Hao, **Xiaodong Gong**, Xiaoyu Zhang, Lan Tian, Pan Zhang, Yue Wang, Zhiyan Cao, Yongshan Fan, Jianmin Han, Jingao Dong<sup>\*</sup>. *StSTE12* is required for the pathogenicity of *Setosphaeria turcica* by regulating appressorium development and penetration. Microbiological Research, 2014, 169(11) 817-823.
7. 巩晓东, 张晓玉, 田兰, 王星懿, 李坡, 张盼, 王玥, 范永山, 韩建民, 谷守芹<sup>\*</sup>, 董金皋<sup>\*</sup>. 玉米大斑病菌MAPK家族的个基因组鉴定及途径模型建立. 中国农业科, 2014, 47(9): 1715-1724.
8. 巩晓东, 范钰, 李坡, 杨阳, 张长志, 田兰, 张晓玉, 范永山, 韩建民<sup>\*</sup>, 谷守芹<sup>\*</sup>, 董金皋<sup>\*</sup>. 玉米大斑病菌*STK2*的基因组定位、蛋白质结构预测及其表达. 中国农业科学, 2013, 46(12): 2599-2606.
9. 巩晓东<sup>\*</sup>, 樊少华, 张萃, 李晓明. H1N1流感病毒聚合酶片段的CpG抑制及其对密码子偏爱性的影响. 生物物理学报. 2011, 27(6): 537-544.
10. **Gong X**, Fan S, Bilderbeck A, Li M, Pang H, Tao S<sup>\*</sup>. Comparative analysis of essential genes and nonessential genes in *Escherichia coli* K12[J]. Mol Genet Genomics. 2008, 279(1): 87-94.

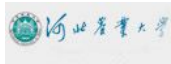
#### 参编教材:

1. 《生物化学与分子生物学实验指导》张克中, 郭巍主编, 中国农林出版社, 2015
2. 《分子生物学》郜金荣主编, 化学工业出版社, 2011
3. 《分子生物学实验指导》郜金荣主编, 武汉大学出版社, 2012

#### 联系方式:

通讯地址: 河北农业大学生命科学学院  
 邮编: 071001  
 E-mail: gxdjy@126.com  
 电话: 0312-7528876

2018年3月更新



版权所有 河北农业大学生命科学学院  
 地址: 河北省保定市乐凯南大街2596号 河北农业大学(西校区B座) 邮编: 071001  
 电话: 0312-7528260 电子邮件: shmyb@hebau.edu.cn