

扩展功能

本文信息

- [Supporting info](#)
- [PDF\(536KB\)](#)
- [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

参考文献

- [把本文推荐给朋友](#)
- [加入我的书架](#)
- [加入引用管理器](#)
- [复制索引](#)
- [Email Alert](#)
- [文章反馈](#)
- [浏览反馈信息](#)

相关信息

- [本刊中包含“增广NCII设计”的相关文章](#)

本文作者相关文章

- [毛盛贤](#)
- [刘来福](#)
- [晋晓春](#)

增广NCII设计的模型检验和参数估计^①

毛盛贤, 刘来福, 晋晓春

1.首都师范大学生物系;北京 100037; 2.北京师范大学数学系;北京 100875; 3.北京医科大学基础医学院;北京 100083

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 在增广NCII设计中,当加性-显性效应或加性效应模型适合时,本文给出了阵列协方差(Wr)对阵列方差(Vr)的遗传回归方程、Wr和Vr统计数的表达式和遗传参数的估算式,并用实例进行了分析估算。

关键词 [增广NCII设计](#) [模型检验](#) [参数估计](#) [Wr+Vr分析](#)

分类号

Model Test and Paramter Estimates of Augmented NCII Design^①

Mao Shengxian Liu Laifu Jin Xiaochun

Departments of Biology Capital Normal University Beijing 100037

Abstract

<P>The genetic regression equations of covariance (wr) on variance (Vr) over arrays, the expressions of Wr and Vr statistics, and the estimate formulas of genetic parameters were given in this paper when an additive-dominance or additive effect model fitted in the augmented NCII design. A worked example was used to illustrate the anylytical process.</P>

Key words [Augmented NCII design](#) [Model test](#) [Parameter estimates](#) [Wr+Vr analysis](#)

DOI:

通讯作者