



### 徐存拴

发布时间:2017-12-29 14:18:01 浏览次数 : 1688



姓名:	徐存拴
职称:	博士、教授(博导 硕导)
办公电话:	0373-3326001
电子邮箱:	xucs@x263.net

#### 个人简介:

徐存拴,1958年2月生,毕业于德国Bremen大学,博士、教授,博士生和硕士生导师,现任河南省-科技部共建细胞分化调控国家重点实验室培育基地主任、河南省生物工程重点实验室主任。也是动物学博士后流动站、动物学博士学位授权点、生物学一级学科硕士学位授权点、细胞生物学硕士学位授权点、国家级教学团队、省级科研创新团队等的第一学术带头人。徐存拴教授长期从事肝再生的分子机理和基因工程制药研究,在再生的基因组学、蛋白质组学、细胞分化调控、生物工程药物开发等方面做了大量研究工作,取得了一系列重要研究成果。发表研究论文600多篇,出版著作7部,获发明专利5项,获国家二类新药证书1项,获省、部级科研成果奖11项,其中,《大鼠肝再生的功能基因组学研究》获教育部自然科学二等奖。获省部级教学成果奖4项,其中,1项为国家优秀教学成果二等奖,培养博士、硕士生100多名。荣获全国留学回国人员先进个人等荣誉称号,受到过江泽民总书记、胡锦涛总书记等党和国家领导人的亲切接见。

#### 研究领域:

再生生物学、细胞分化与调控

#### 主要学术及社会兼职:

曾任河南师范大学副校长,生命科学学院院长。曾兼任中国动物学会第七届和第八届副理事长,中国细胞生物学会第六届和第七届常务理事,国家教学指导委员会生命科学教学指导委员会委员,河南省第八届政协委员、第十、十一届省人大常务委员会委员,河南省动物学会第五、六届理事长,第七、八届名誉理事长,河南省细胞生物学会第一、二届副理事长兼秘书长。现任河南省细胞生物学会副理事长兼秘书长,河南省动物学会名誉理事长,河南省大鲵养殖协会名誉会长,《解剖学报》、《基础医学与临床》等刊物的编委。

#### 主持或参加科研项目情况:

1. 国家973计划前期研究专项: 分离的大鼠再生肝细胞基因表达谱及作用分析, 主持
2. 国家973计划前期研究专项: 大鼠肝再生的蛋白质学研究, 主持
3. 国家973计划前期研究专项: 肝脏损伤修复与再生机制的蛋白质组学基础研究, 主持
4. 国家自然科学基金面上项目: 4种共表达microRNA协同调节大鼠肝细胞增殖和肝再生的分子机制研究, 主持
5. 国家自然科学基金面上项目: 克隆大鼠部分肝切除诱导的50KD ADAM基因, 主持
6. 国家自然科学基金科学部主任项目: 两种与肝再生相关的新核蛋白基因的克隆及功能分析, 主持
7. 河南省重大公益性科研计划项目: 治疗肝炎和脂肪肝的新基因筛选和药理作用研究, 主持
8. 河南省重大科技攻关项目: 用生物工程制药技术生产豹蛙抗肿瘤关键技术研究, 主持
9. 河南省自然科学基金项目: circ\_2072调节肝细胞增殖和肝再生的分子机制研究, 主持
10. 河南省基础与前沿技术项目: 肝再生的蛋白质组学研究, 主持

#### 学术成果:

##### 代表性论文:

1. Xu CS, Jiang Y, Zhang LX, Chang CF, Wang GP, Shi RJ, Yang YJ. The role of Kupffer cells in rat liver regeneration revealed by cell-specific microarray analysis. J Cell Biochem. 2012, 113(1):229-37.
2. Xu CS, Chen XG, Chang CF, Wang GP, Wang W, Zhang LX, Zhu QS, Wang L, Zhang FC. Analysis of gene expression profiles of liver stellate cells during liver regeneration in rats. Mol Cells. 2011, 31(1):17-23.

3. Xu CS, Zhang XS, Wang GP, Chang CF, Zhang LX, Cheng QY, Lu AL. Role of the autonomic nervous system in rat liver regeneration. *Cell Mol Neurobiol.* 2011, 31(4):527–540.
4. Xu CS, Wang GP, Hao YP, Zhi J, Zhang LX, Chang CF. Correlation analysis between gene expression profile of rat liver tissues and high-fat emulsion-induced nonalcoholic fatty liver. *Dig Dis Sci.* 2011, 56(8):2299–308.
5. Xu CS, Zhao WM, Hao YP, Chang CF, Fan JY. Comparative analysis of gene expression profiles of acute hepatic failure and that of liver regeneration in rat. *Gene.* 2013, 528(2):59–66.
6. Xu CS, Yang YJ, Yang JY, Chen XF, Wang GP. Analysis of the role of the integrin signaling pathway in hepatocytes during rat liver regeneration. *Cell Mol Biol Lett.* 2012, 17(2):274–288.
7. Xu CS, Chen XG, Chang CF, Wang GP, Wang W, Zhang LX, Zhu QS, Wang L. Characterization of transcriptional profiling of Kupffer cells during liver regeneration in rats. *Cell Biol Int.* 2012, 36(8):721–732.
8. Xu CS, Chen XG, Chang CF, Wang GP, Wang WB, Zhang LX, Zhu QS, Wang L. Analysis of time-course gene expression profiles of sinusoidal endothelial cells during liver regeneration in rats. *Mol Cell Biochem.* 2011, 350(1–2):215–227.
9. Yin L, Chang CF, Xu CS. G2/M checkpoint plays a vital role at the early stage of HCC by analysis of key pathways and genes. *Oncotarget.* 2017 Jul 18;8(44):76305–76317.
10. Geng XF, Li W, Shang HT, Gou Q, Zhang FC, Zang XY, Zeng B, Li J, Wang Y, Ma J, Guo JL, Jian J, Chen B, Qiao Z, Zhou M, Wei H, Fang X, Xu CS. A reference gene set construction using RNA-seq of multiple tissues of Chinese Giant Salamander, *Andrias davidianus*. *Gigascience.* 2017, 6(3):1–7.
11. Geng XF, Wei H, Shang H, Zhou M, Chen B, Zhang FC, Zang XY, Li PF, Sun JY, Che J, Zhang Y, and Xu CS. Proteomic analysis of the skin of Chinese giant salamander (*Andrias davidianus*). *J Proteomics.* 2015, 119:196–208.
12. Li LF, Guo JL, Chen YH, Chang CF, Xu CS. Comprehensive CircRNA expression profile and selection of key CircRNAs during priming phase of rat liver regeneration. *BMC Genomics.* 2017, 18(1):80.
13. Yin L, Chang CF, Xu CS. Expressions Profiles of the Proteins Associated with Carbohydrate Metabolism in Rat Liver Regeneration. *Biomed Res Int.* 2017, 2017:8428926.
14. Geng XF, Wang GP, Qin YL, Zang XY, Li PF, Geng Z, Xue DM, Dong ZM, Ma KX, Chen GW, and Xu CS. iTRAQ-Based Quantitative Proteomic Analysis of the Initiation of Head Regeneration in Planarians. *PLoS One.* 2015, 10(7): e0132045.
15. Li J, Jin W, Qin YL, Zhao WM, Chang CF, Xu CS. Expression Profile and Function Analysis of lncRNAs during Priming Phase of Rat Liver Regeneration. *PLoS One.* 2016, 11(6):e0156128.
16. Geng XF, Xu TT, Niu ZP, Zhou XC, Zhao LJ, Xie ZB, Xue DM, Zhang FC, Xu CS. Differential proteome analysis of the cell differentiation regulated by BCC, CRH, CXCR4, GnRH, GPCR, IL1 signaling pathways in Chinese fire-bellied newt limb regeneration. *Differentiation.* 2014, 88(4–5):85–96.
17. Sun JY, Geng XF, Guo JL, Zang XY, Li PF, Li DM, Xu CS. Proteomic analysis of the skin from Chinese fire-bellied newt and comparison to Chinese giant salamander. *Comp Biochem Physiol Part D Genomics Proteomics.* 2016, 19:71–77.
18. Li PF, Yang GG, Geng XF, Shi JB, Li B, Wang Z, Zhang QY, Yang YJ, Xu CS. High-Level Secretory Expression and Purification of Recombinant Human Interleukin 1 Beta in *Pichia pastoris*. *Protein Pept Lett.* 2016, 23(8):763–769.
19. Zhang JH, Pan CY, Xu TT, Niu ZP, Ma CK, and Xu CS. Interleukin 18 augments growth ability via NF- $\kappa$ B and p38/ATF2 pathways by targeting cyclin B1, cyclin B2, cyclin A2, and Bcl-2 in BRL-3A rat liver cells. *Gene.* 2015, 563(1): 45–51.
20. Qin D and Xu CS. Study strategies for long non-coding RNAs and their roles in regulating gene expression. *Cell Mol Biol Lett.* 2015, 20: 323–349.
- 专利成果：（授权发明专利在前）
1. 一种表达人血清白蛋白的质粒和重组菌以及它们的应用 (ZL 201310078906.0)
  2. 表达人血清白蛋白的质粒和重组菌以及它们的应用 (ZL 201310078280.3)