

新闻中心

- 通知公告
- 图片新闻
- 综合新闻
- 学术活动
- 科研动态
- 最新论文
- 近期活动

综合新闻

- 海洋所两个党支部联合开展“缅怀先烈 不..."
- 中国科学院海洋环流与波动重点实验室召...
- 海洋所举行“缅怀科研先驱，弘扬求真精..."
- 谁无暴风劲雨时，守得云开见月明——记...
- 工程技术部圆满完成西太平洋科考任务

当前位置：首页>新闻中心>科研动态

Nature子刊发表扇贝发育演化研究最新成果

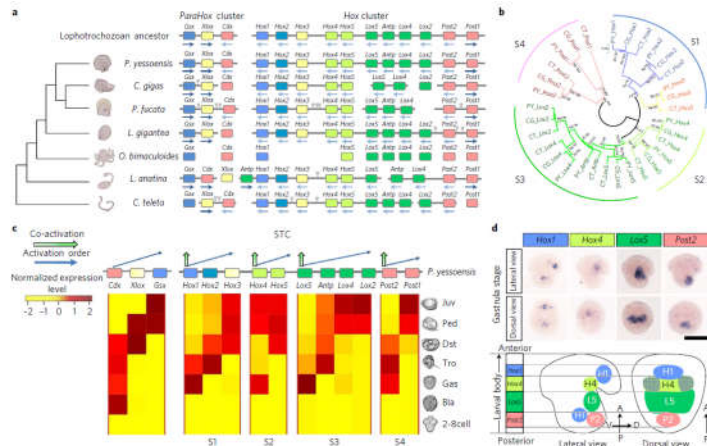
时间：2017-04-06 来源：实验海洋生物学重点实验室

文本大小：【大 | 中 | 小】 【打印】

Nature子刊Nature Ecology & Evolution日前以Article形式在线发表了海洋研究所刘保忠课题组参与完成的论文“Scallop genome provides insights into evolution of bilaterian karyotype and development”，课题组邹聘副研究员为该文并列第一作者。

本研究由中国海洋大学、中国科学院海洋研究所、挪威Bergen大学、美国Rutgers大学等单位共同完成。研究团队解析了重要的双壳贝类虾夷扇贝的全基因组序列，发现在超过3亿年的演化过程中扇贝基因组变化缓慢，其全部19对染色体的结构与预测的现有大多数动物共同祖先的17对染色体保持了惊人的一致性，这种保守性远超过了其它已知基因组信息的动物。通过对Hox基因的分析，研究人员提出了关于Hox基因表达的崭新概念——分段共线性(subcluster temporal co-linearity, STC)。其中，刘保忠课题组对扇贝的全部11个Hox基因在胚胎和幼虫期的动态表达规律进行了系统分析，研究成果充分支持了STC假说，为论文提供了关键的实验生物学佐证。

论文链接：<http://www.nature.com/articles/s41559-017-0120>



a: 虾夷扇贝Hox基因的组成；b: 扇贝与其它冠轮动物Hox基因的聚类分析；c: 转录组分析表明Hox基因在表达时间上呈现分段共线性；d: 四种Leading Hox基因在扇贝胚胎中呈空间共线性表达。



版权所有 © 中国科学院海洋研究所 备案证号：37020020060875
 地址：青岛南海路7号 邮编：266071 邮件：iocas@qdio.ac.cn
 技术支持：青云软件

