



刘海林, 章群, 李名立等. 太湖与广东汤溪水库微囊藻gyrB基因序列分析. 湖泊科学, 2010, 22(2): 221-226.

太湖与广东汤溪水库微囊藻gyrB基因序列分析

[全文PDF下载](#)

刘海林, 章群, 李名立, 胡韧, 雷腊梅

(暨南大学水生生物研究所, 广东省水体富营养化与赤潮防治重点实验室, 广州 510632)

摘要: 测定了江苏太湖和广东汤溪水库7株铜绿微囊藻 (*M. aeruginosa*) 和1株水华微囊藻 (*M. flos-aquae*) gyrB基因部分序列 (974bp), 发现40个变异位点, 17个简约信息位点, 平均 (G+C)% 为47.8%, 序列间相似性 $\geq 97.10\%$. 在NJ分子系统树上, 不同种类的微囊藻混杂分布, 表明基因型聚类与表型无直接关系; 不同地理来源的铜绿微囊藻间遗传变异小, 没有明显的地理聚群, 反映出地理差异并不影响遗传上的相似性; 支持暂将不同藻种归为铜绿微囊藻复合种的分类处理. gyrB基因对微囊藻遗传差异的解析效果优于16S rRNA, 与16S23S ITS 和cpcBA-IGS等效果相当, 表明gyrB基因可能成为研究微囊藻分类和遗传变异新的良好分子标记.

关键词: 微囊藻; gyrB基因; 系统发育; 太湖; 汤溪水库

[最新动态](#)

[各期目录](#)

[投稿指南](#)

[分类下载](#)

[论文检索](#)

[有问必答](#)

[相关链接](#)

中国科学院南京地理与湖泊研究所

中国海洋湖沼学会

万方数据

中国期刊网

重庆维普